

Table S1. PDB entries with near-crystallographic symmetry

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop} Error (I_{obs})	
							(%)	$\varphi(g_i)$				(Å)	(%)
1qu9	1.2	P 2 2 2	P 2 3	3	1	0.00	0.0	0.000	0.00	0.00	0.00	---	---
2fiv	2.0	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	0.6	0.000	0.00	0.00	0.00	---	4.3
2a8k	1.5	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	0.6	0.002	0.01	0.00	0.00	---	0.9
1jvl	2.0	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	0.3	0.000	0.01	0.00	0.00	---	---
2b7k	1.8	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.00	0.9	0.001	0.01	0.01	0.00	---	2.8
3dg7	2.0	C 1 2 1	I 4 2 2	4	1	0.02	1.0	0.001	0.01	0.01	0.01	0.11	5.7
liwo	3.1	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	0.2	0.000	0.01	0.00	0.00	0.57	---
1bww	2.4	P 64	P 64 2 2	2	4	0.00	1.1	0.001	0.01	0.01	0.00	---	3.4
3g3q	2.6	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	0.2	0.000	0.01	0.00	0.00	0.43	1.7
1sma	2.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.4	0.007	0.01	0.00	0.00	---	2.3
3fiv	1.9	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	0.9	0.000	0.01	0.01	0.01	---	4.2
2gpz	2.5	P 6	P 6 2 2	2	1	0.00	0.3	0.000	0.01	0.00	0.00	0.24	3.4
1jig	1.5	R 3 :H	F 2 3	4	1	0.00	1.5	0.007	0.01	0.01	0.01	0.15	1.5
1xuv	2.1	C 1 2 1	P 32 2 1	3	1	0.00	0.7	0.001	0.01	0.01	0.01	0.27	---
1ru8	2.7	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.01	0.7	0.000	0.01	0.01	0.01	0.43	---
3ebw	2.8	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	0.3	0.000	0.01	0.01	0.01	---	---
3k9f	2.9	P 32	P 62	2	2	0.00	1.4	0.000	0.01	0.01	0.00	0.61	---
1qy7	2.0	I 41 2 2	I 41 3 2	3	1	0.01	4.1	0.001	0.01	0.01	0.01	---	4.6
1ki1	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.00	0.5	0.000	0.01	0.00	0.00	---	---
2gsh	2.4	P 2 3	P 4 3 2	2	1	0.00	0.5	0.000	0.01	0.01	0.01	0.21	---
2z0g	2.1	R 3 :H	I 2 3	4	1	0.01	0.9	0.006	0.01	0.01	0.01	0.18	1.7
lizy	2.8	P 65	P 65 2 2	2	1	0.00	0.7	0.000	0.01	0.01	0.01	0.40	2.0
2r8a	3.0	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	0.9	0.000	0.01	0.00	0.00	0.53	2.0
2agv	2.4	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	0.7	0.000	0.01	0.01	0.01	0.45	---
1xdk	2.9	P 31 2 1	P 61 2 2	2	4	0.00	0.4	0.000	0.01	0.01	0.01	0.80	2.0
1okb	1.9	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.06	0.8	0.001	0.01	0.01	0.01	0.23	---
3eyy	2.4	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	2.0	0.002	0.01	0.01	0.01	0.37	1.7
3eg5	2.7	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	0.5	0.000	0.01	0.01	0.01	0.25	3.2
2b7j	2.3	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.00	1.9	0.002	0.01	0.01	0.01	---	---
1pq3	2.7	P 32	P 32 2 1	2	3	0.00	0.7	0.000	0.01	0.01	0.01	---	---
1x90	2.7	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	1.5	0.002	0.02	0.01	0.01	0.42	3.6
1z2i	2.2	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	4.5	0.003	0.02	0.01	0.01	0.46	4.4
1g5u	3.1	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	0.6	0.000	0.02	0.01	0.01	0.58	---
2z4r	3.0	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.02	2.3	0.002	0.02	0.01	0.01	0.64	3.3
1sms	3.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	1.5	0.003	0.02	0.01	0.01	---	---
1s3n	2.5	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	0.9	0.001	0.02	0.01	0.01	0.44	1.0
3bp3	1.6	C 2 2 21	P 43 21 2	2	1	0.02	1.0	0.000	0.02	0.01	0.01	0.40	3.6
2g4c	3.2	P 32	P 65	2	2	0.00	2.3	0.003	0.02	0.02	0.01	---	4.7
3eqy	1.6	P 31	P 61	2	2	0.00	1.8	0.000	0.02	0.02	0.02	0.04	1.3
2pjx	3.1	P 21 3	P 43 3 2	2	2	0.00	0.4	0.000	0.02	0.02	0.02	0.47	1.8
3e8d	2.7	P 32	P 65	2	2	0.00	6.0	0.003	0.02	0.02	0.01	0.29	---
1bvs	3.0	P 31	P 64 2 2	4	2	0.00	1.6	0.001	0.02	0.01	0.01	0.77	2.8
1p7h	2.6	P 1	C 1 2 1	2	2	0.03	1.4	0.002	0.02	0.01	0.01	0.54	2.5

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. Error			R_{symop} (I_{obs}) (%)
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	(Å)	
2al5	1.6	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.07	1.8	0.002	0.02	0.02	0.02	0.17	3.6
3cqf	3.1	C 2 2 21	P 43 21 2	2	1	0.00	0.4	0.000	0.02	0.02	0.02	0.27	2.5
1r95	2.6	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	0.7	0.000	0.02	0.02	0.02	0.17	---
3djb	2.9	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	0.5	0.002	0.02	0.01	0.01	0.63	---
1m22	1.4	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.00	1.9	0.001	0.02	0.02	0.02	0.07	3.5
3g5c	2.4	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	3.0	0.002	0.02	0.02	0.02	---	3.7
2g4d	2.8	P 43	P 43 2 2	2	2	0.00	1.4	0.001	0.02	0.02	0.01	---	5.7
1m21	1.8	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.00	1.2	0.002	0.02	0.02	0.02	0.06	8.6
2a0s	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	3.1	0.001	0.02	0.02	0.02	0.14	3.4
2cs7	1.2	C 1 2 1	P 31 2 1	3	1	0.01	4.5	0.002	0.02	0.02	0.02	0.01	---
2r88	2.6	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.03	0.8	0.000	0.02	0.02	0.02	0.39	1.8
1hci	2.8	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	1.6	0.001	0.02	0.01	0.01	0.78	4.9
1xal	2.8	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	1.4	0.001	0.02	0.01	0.01	0.66	3.2
1ow0	3.1	P 3	P 3 2 1	2	2	0.00	0.5	0.000	0.02	0.01	0.01	0.77	3.2
2wg6	2.5	P 1 21 1	P 63	3	4	0.03	1.3	0.005	0.02	0.02	0.02	0.16	2.8
3e87	2.3	P 32	P 65	2	2	0.00	4.1	0.002	0.02	0.02	0.01	0.20	3.9
2i14	2.9	P 31	P 31 2 1	2	3	0.00	0.8	0.002	0.02	0.02	0.01	0.66	2.8
3dev	3.1	P 3	P 3 2 1	2	1	0.00	1.0	0.001	0.02	0.02	0.02	0.67	---
3bry	3.2	F 2 2 2	I 41 2 2	2	1	0.02	1.0	0.000	0.02	0.02	0.02	0.32	2.4
2zjt	2.8	P 21 21 21	P 43 21 2	2	1	0.07	0.7	0.000	0.02	0.02	0.02	0.64	2.5
2hb6	2.0	P 63	P 63 2 2	2	1	0.00	1.8	0.002	0.02	0.02	0.02	0.07	1.6
1uiz	2.5	R 3 :H	P 21 3	4	1	0.02	0.9	0.002	0.02	0.01	0.01	---	---
3co7	2.9	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	0.4	0.000	0.02	0.02	0.02	---	---
2a0k	1.8	C 1 2 1	C 2 2 21	2	1	0.03	4.6	0.003	0.02	0.02	0.02	0.08	5.4
2gh1	2.5	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	0.9	0.001	0.02	0.02	0.02	0.34	4.3
1t6s	1.9	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	1.2	0.000	0.02	0.02	0.02	---	1.2
1wpg	2.3	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.01	0.8	0.000	0.02	0.02	0.01	0.40	---
2e2e	2.0	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.01	0.9	0.000	0.02	0.02	0.02	0.16	---
2fbk	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	0.9	0.002	0.02	0.00	0.00	---	1.3
2dfy	1.6	P 3	P 3 1 2	2	1	0.00	1.7	0.001	0.02	0.02	0.02	0.05	---
3gvz	2.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.03	1.2	0.000	0.02	0.01	0.01	0.06	---
2p88	2.4	P 1 21 1	C 2 2 21	2	4	0.00	1.1	0.001	0.02	0.01	0.01	0.35	5.5
1mo1	1.8	P 43	P 43 2 2	2	2	0.00	4.6	0.004	0.02	0.02	0.02	0.12	1.4
1udd	2.2	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	6.2	0.006	0.02	0.02	0.02	0.25	2.6
1s3l	2.4	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	1.6	0.002	0.02	0.02	0.02	0.34	---
3evx	2.5	P 1	P 1 21 1	2	2	0.07	2.7	0.001	0.02	0.02	0.02	0.40	7.8
2j50	3.0	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.03	0.7	0.000	0.02	0.01	0.01	0.67	3.6
2okf	1.6	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	2.8	0.001	0.02	0.02	0.02	0.04	---
1r94	2.3	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	0.8	0.001	0.02	0.02	0.02	0.17	---
2jaq	2.3	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	3.6	0.002	0.02	0.00	0.00	0.19	3.0
1f9w	2.5	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	2.1	0.001	0.02	0.01	0.01	---	4.6
2pyn	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	3.8	0.004	0.03	0.02	0.02	0.10	1.3
1r5w	2.9	P 41	P 41 21 2	2	3	0.00	0.8	0.001	0.03	0.02	0.02	---	---
1ooh	1.2	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.1	0.005	0.03	0.03	0.03	0.04	---
1rpm	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.09	1.9	0.001	0.03	0.02	0.02	---	2.4

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. Error			R_{symop} (I_{obs}) (%)
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	(Å)	
2pjh	2.1	P 1	C 1 2 1	2	1	0.07	1.4	0.002	0.03	0.02	0.02	0.50	---
3b54	3.1	F 2 3	F 4 1 3 2	2	1	0.00	0.8	0.000	0.03	0.03	0.03	---	---
1xfx	3.2	C 1 2 1	P 6 5 2 2	6	2	0.02	0.7	0.000	0.03	0.03	0.03	0.79	1.8
3bs0	2.6	P 1	P 1 2 1 1	2	1	0.06	1.3	0.007	0.03	0.01	0.01	0.50	4.6
1am4	2.7	P 1	R 3 :H	3	2	0.04	1.2	0.002	0.03	0.02	0.02	---	---
3glm	2.5	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	2	0.02	2.6	0.001	0.03	0.03	0.03	0.22	5.5
1hm8	2.5	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	1.7	0.001	0.03	0.03	0.03	0.33	1.8
1uum	2.3	P 3	P 6 3	2	1	0.00	1.5	0.000	0.03	0.03	0.03	0.24	2.1
1ii4	2.7	P 1	P 1 2 1 1	2	4	0.02	3.9	0.004	0.03	0.03	0.02	---	---
2deu	3.4	C 1 2 1	I 2 1 2 1 2 1	2	1	0.01	4.0	0.002	0.03	0.02	0.02	1.05	3.6
3e88	2.5	P 3 2	P 6 5	2	2	0.00	3.8	0.002	0.03	0.03	0.02	0.26	5.0
2f62	1.5	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	1	0.03	4.5	0.003	0.03	0.03	0.03	0.04	2.2
2z66	1.9	P 1	P 2 1 2 1 2	4	1	0.15	2.1	0.002	0.03	0.03	0.03	0.09	5.0
3eaa	2.8	P 6	P 6 2 2	2	1	0.00	1.6	0.001	0.03	0.02	0.02	0.43	---
3elp	2.4	P 4 2	P 4 2 2 1 2	2	2	0.00	1.1	0.002	0.03	0.03	0.03	---	3.3
2gw3	1.4	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.01	8.5	0.009	0.03	0.03	0.03	---	1.7
2wg5	2.1	P 1 2 1 1	P 6 3	3	4	0.12	1.5	0.000	0.03	0.03	0.03	---	2.3
3e9h	2.1	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.05	2.7	0.003	0.03	0.03	0.03	0.25	3.9
2euc	2.5	P 2 1 2 1 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.08	3.1	0.001	0.03	0.02	0.02	0.74	---
3buo	2.6	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.06	1.0	0.000	0.03	0.02	0.02	---	7.1
3g1v	1.3	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	7.8	0.009	0.03	0.03	0.03	0.05	1.3
2o7u	2.8	C 1 2 1	P 3 1 2 1	3	3	0.03	1.0	0.003	0.03	0.03	0.02	0.37	7.2
3c4n	2.4	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.01	2.4	0.001	0.03	0.03	0.03	0.27	---
2p7k	3.3	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	3.4	0.002	0.03	0.03	0.03	0.37	---
1km1	1.6	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.00	6.3	0.005	0.03	0.03	0.03	0.12	---
1qzx	4.0	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	0.9	0.000	0.03	0.00	0.00	---	3.0
3fmt	3.0	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	0.8	0.001	0.03	0.01	0.00	1.83	2.7
3gw7	3.3	P 6 3	P 6 3 2 2	2	1	0.00	0.5	0.001	0.03	0.02	0.02	0.74	---
2c82	1.9	P 4 1	P 4 1 2 2	2	1	0.00	1.2	0.002	0.03	0.02	0.02	0.12	3.1
2r1u	1.5	P 3 1	P 3 1 2 1	2	1	0.00	6.3	0.006	0.03	0.03	0.03	---	---
2z5i	2.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	5	0.04	1.7	0.002	0.03	0.03	0.01	0.13	3.5
2o96	3.0	C 1 2 1	I 2 1 2 1 2 1	2	1	0.02	4.1	0.002	0.03	0.03	0.03	0.26	3.8
2v6e	3.2	P 4 1	P 4 1 2 2	2	1	0.00	0.9	0.001	0.03	0.03	0.03	0.45	8.7
2gw4	1.6	C 1 2 1	I 2 2 2	2	2	0.04	8.5	0.008	0.03	0.03	0.03	---	5.3
1qma	2.5	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.11	2.2	0.002	0.03	0.03	0.03	---	---
1nt0	2.7	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.10	1.0	0.001	0.03	0.02	0.02	0.48	5.6
1y0v	3.6	C 1 2 1	P 6 5 2 2	6	2	0.05	0.8	0.006	0.03	0.03	0.03	0.44	---
1oog	1.4	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	6.6	0.006	0.04	0.03	0.03	0.07	---
1oki	1.4	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	6.2	0.005	0.04	0.03	0.03	0.05	1.3
3sxl	2.7	P 1 2 1 1	P 6 5	3	1	0.03	1.9	0.000	0.04	0.03	0.03	0.50	---
2ceu	1.8	I 2 2 2	I 4 2 2	2	2	0.02	2.0	0.000	0.04	0.03	0.03	0.07	2.1
3d5s	2.3	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	2	0.00	2.2	0.001	0.04	0.03	0.03	---	3.5
2f1v	2.7	P 2 1 2 1 2 1	P 4 1 2 1 2	2	3	0.07	1.0	0.000	0.04	0.03	0.01	0.33	2.7
3it3	1.5	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	3.8	0.003	0.04	0.04	0.04	0.23	---
1yq5	2.0	P 2 1 3	P 4 1 3 2	2	1	0.00	1.8	0.000	0.04	0.03	0.03	---	1.0

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop} (I_{obs})	
							(%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(%)
2rkg	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.6	0.007	0.04	0.04	0.04	0.11	1.3
2w0h	3.0	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	3.9	0.003	0.04	0.03	0.03	0.32	5.1
1pl6	2.0	P 62	P 62 2 2	2	2	0.00	2.3	0.002	0.04	0.04	0.04	0.17	---
3gw1	2.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.10	3.2	0.001	0.04	0.02	0.02	0.45	13.3
2j5y	1.4	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.03	5.4	0.006	0.04	0.04	0.04	0.04	4.5
1x1z	1.4	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.00	5.5	0.003	0.04	0.04	0.04	0.09	---
1rir	2.9	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	3.7	0.003	0.04	0.03	0.02	---	11.4
2i0j	2.9	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.02	3.5	0.002	0.04	0.04	0.04	0.70	5.5
2qqr	1.8	I 21 3	I 41 3 2	2	1	0.00	2.6	0.001	0.04	0.04	0.04	0.07	2.6
3gu3	2.3	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	1.4	0.000	0.04	0.04	0.04	0.23	---
3fvb	1.8	F 2 3	F 4 3 2	2	1	0.00	4.0	0.002	0.04	0.04	0.04	0.07	1.7
3icf	2.3	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	2.6	0.001	0.04	0.04	0.04	0.23	2.0
3flr	2.5	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	5.7	0.008	0.04	0.03	0.03	---	0.8
3dbj	2.9	P 3	P 63 2 2	4	2	0.00	3.7	0.002	0.04	0.03	0.03	---	6.4
2g09	2.1	P 32	P 62	2	1	0.00	3.9	0.002	0.04	0.04	0.04	0.10	---
2g08	2.4	P 32	P 62	2	1	0.00	4.7	0.003	0.04	0.04	0.04	0.19	---
3i1e	2.9	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	1.5	0.001	0.04	0.01	0.01	0.74	---
3exa	2.3	P 1	P 1 21 1	2	2	0.02	3.4	0.003	0.04	0.04	0.04	0.33	---
2r1v	1.7	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	8.6	0.009	0.04	0.04	0.04	---	---
3bix	1.8	P 32	P 65 2 2	4	1	0.00	4.4	0.004	0.04	0.04	0.04	0.22	3.7
1zct	2.6	P 64	P 64 2 2	2	1	0.00	1.1	0.000	0.04	0.04	0.04	0.45	1.0
1kiu	3.0	C 1 2 1	P 41 21 2	4	4	0.02	2.4	0.001	0.04	0.03	0.01	0.55	6.0
3cae	3.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	5	0.06	1.5	0.002	0.04	0.04	0.02	---	4.3
3gup	1.5	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	2.7	0.003	0.04	0.04	0.04	0.07	2.0
2r55	2.5	P 65	P 65 2 2	2	1	0.00	0.9	0.000	0.04	0.04	0.04	0.32	2.0
2f67	1.6	C 1 2 1	C 2 2 21	2	1	0.01	4.0	0.004	0.04	0.04	0.04	0.05	4.7
2al4	1.7	P 1 21 1	P 21 21 2	2	3	0.03	2.0	0.003	0.04	0.02	0.01	0.09	5.4
3c6q	2.3	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.10	3.0	0.003	0.04	0.04	0.03	---	7.7
3dmo	1.6	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.01	4.6	0.003	0.04	0.04	0.04	0.08	3.9
2pyb	2.6	R 3 :H	F 2 3	4	1	0.12	1.7	0.000	0.04	0.03	0.03	0.99	4.6
3ef2	1.8	P 3	P 63 2 2	4	1	0.00	4.1	0.003	0.04	0.04	0.04	0.06	---
3iq2	1.7	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	4.5	0.003	0.04	0.04	0.04	0.06	---
2erg	3.1	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	1.2	0.003	0.04	0.01	0.01	0.61	---
2zz4	1.7	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	4.7	0.003	0.04	0.04	0.04	0.11	4.0
1oof	1.5	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.3	0.007	0.04	0.04	0.04	0.08	---
1xfy	3.3	C 1 2 1	P 65 2 2	6	2	0.08	0.9	0.002	0.04	0.04	0.03	0.64	3.7
3ccd	1.0	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.05	9.2	0.011	0.04	0.04	0.04	0.02	3.3
2p3d	2.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	1.9	0.001	0.04	0.04	0.04	0.33	4.5
2zz2	1.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	6.1	0.004	0.04	0.04	0.04	0.04	2.5
1hw1	1.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.06	5.5	0.004	0.04	0.04	0.04	---	2.5
3g18	1.6	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	4.0	0.005	0.04	0.04	0.04	---	1.0
1xfu	3.4	C 1 2 1	P 65 2 2	6	2	0.08	1.0	0.002	0.04	0.03	0.03	0.69	3.0
1yo3	1.7	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.01	5.6	0.004	0.04	0.04	0.04	0.06	1.7
1fqx	3.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	2.5	0.001	0.04	0.02	0.02	---	7.4
2zxi	2.3	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.00	5.0	0.003	0.04	0.04	0.04	0.41	3.3

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1pt5	2.0	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	5.1	0.003	0.04	0.04	0.04	0.06	1.9
3k8d	1.9	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	3.7	0.003	0.04	0.04	0.04	0.22	---
2qs2	1.8	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.03	5.1	0.003	0.04	0.04	0.04	0.07	2.3
2ixx	2.5	P 3 2 1	P 63 2 2	2	1	0.00	2.8	0.001	0.04	0.04	0.04	0.13	4.0
1iil	2.3	P 1	P 1 21 1	2	4	0.01	5.9	0.004	0.04	0.04	0.04	---	---
3fod	1.4	P 1 21 1	P 21 21 21	2	4	0.01	5.6	0.009	0.04	0.04	0.03	0.07	5.2
1w9s	1.6	P 1	C 1 2 1	2	1	0.01	4.6	0.004	0.04	0.04	0.04	0.05	1.7
1u8g	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	1.9	0.001	0.04	0.04	0.04	---	2.3
1t91	1.9	P 1	C 1 2 1	2	2	0.18	8.4	0.016	0.04	0.04	0.04	---	4.6
2q5c	1.5	P 1	C 1 2 1	2	1	0.03	4.8	0.004	0.05	0.04	0.04	0.05	5.5
2je1	2.7	P 63	P 63 2 2	2	2	0.00	7.8	0.012	0.05	0.05	0.04	0.30	4.6
1tc5	1.9	P 2 2 21	P 43 2 2	2	2	0.01	5.1	0.002	0.05	0.05	0.04	0.13	4.6
2p3b	2.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	5.1	0.004	0.05	0.04	0.04	0.14	3.3
2cu6	2.0	I 2 3	I 4 3 2	2	1	0.00	5.9	0.004	0.05	0.05	0.05	0.14	0.9
1b5e	1.6	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.27	3.6	0.001	0.05	0.04	0.04	---	8.5
1zlj	2.0	P 1	P 1 21 1	2	4	0.14	5.4	0.005	0.05	0.04	0.04	0.11	3.9
2g8s	1.5	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.03	5.1	0.003	0.05	0.05	0.05	0.03	2.6
2jc2	2.5	P 65	P 65 2 2	2	2	0.00	2.5	0.001	0.05	0.05	0.04	0.29	2.4
2p3c	2.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	3.2	0.002	0.05	0.04	0.04	0.20	4.5
2p3a	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	3.5	0.003	0.05	0.05	0.05	0.11	1.8
2i9b	2.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	4	0.10	1.2	0.001	0.05	0.05	0.05	0.28	4.1
2g0a	2.4	P 32	P 62	2	1	0.00	4.7	0.003	0.05	0.05	0.05	---	---
3gne	1.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	5.7	0.005	0.05	0.05	0.05	---	---
2g06	2.2	P 32	P 62	2	1	0.00	4.9	0.003	0.05	0.05	0.05	0.14	---
3c61	1.8	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	4.9	0.005	0.05	0.05	0.05	0.07	---
3cnr	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.4	0.022	0.05	0.05	0.05	0.12	---
3g1x	1.6	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	7.0	0.008	0.05	0.05	0.05	0.10	1.5
2r7i	3.0	P 43	P 43 21 2	2	2	0.00	2.7	0.001	0.05	0.05	0.05	0.38	3.3
2aqp	1.3	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.08	6.0	0.003	0.05	0.05	0.05	---	3.2
2d16	1.7	P 3	P 63	2	2	0.00	6.3	0.003	0.05	0.05	0.05	0.24	2.0
2zz1	1.6	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.02	5.3	0.004	0.05	0.05	0.05	0.04	2.9
1ev2	2.2	P 1	P 1 21 1	2	4	0.02	8.6	0.010	0.05	0.05	0.05	---	---
1klf	2.8	C 1 2 1	P 41 21 2	4	4	0.02	1.8	0.001	0.05	0.03	0.01	0.51	3.2
1ucf	1.9	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	5.5	0.005	0.05	0.05	0.05	0.18	3.6
2vhz	2.0	P 21 3	P 43 3 2	2	1	0.00	2.9	0.001	0.05	0.05	0.05	0.10	2.9
1b49	2.3	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.03	3.5	0.001	0.05	0.05	0.05	---	5.7
3ezq	2.7	P 61	P 61 2 2	2	8	0.00	4.1	0.005	0.05	0.05	0.02	0.27	0.8
2gr7	2.3	C 1 2 1	P 3 2 1	3	2	0.09	3.8	0.003	0.05	0.05	0.05	0.15	4.8
3h7n	3.0	P 1	P 21 21 2	4	1	0.07	1.0	0.002	0.05	0.05	0.05	---	4.4
3it0	1.7	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	4.3	0.003	0.05	0.05	0.05	0.33	---
2inv	1.8	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.00	5.3	0.007	0.05	0.05	0.05	---	2.4
1hv4	2.8	P 1	C 1 2 1	2	4	0.16	2.5	0.001	0.05	0.05	0.03	0.55	6.9
2aen	1.6	P 1	P 1 21 1	2	4	0.03	5.1	0.004	0.05	0.05	0.05	0.06	3.7
1c03	2.3	P 1	I 2 2 2	4	1	0.31	2.4	0.003	0.05	0.05	0.05	---	4.9
1hm9	1.8	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	3.3	0.004	0.05	0.05	0.05	0.23	3.0

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							$\varphi(g_i)$	(%)				Error (Å)	(%)
1r52	2.9	P 1	I 2 2 2	4	1	0.04	4.2	0.002	0.05	0.05	0.05	0.27	3.5
2f2t	1.7	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	1	0.05	6.2	0.005	0.05	0.05	0.05	0.06	4.6
1ww5	2.2	P 1	C 2 2 2 1	4	1	0.14	4.2	0.004	0.05	0.05	0.05	0.46	4.4
1b5d	2.2	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.04	4.5	0.002	0.05	0.05	0.05	---	8.6
2c57	3.1	P 3 1	P 6 4 2 2	4	3	0.00	1.5	0.001	0.05	0.05	0.05	0.34	4.4
1w9t	1.6	P 1	C 1 2 1	2	1	0.04	4.8	0.003	0.05	0.05	0.05	0.06	2.5
3hi8	3.2	C 1 2 1	I 2 3	6	1	0.06	1.0	0.002	0.05	0.01	0.01	---	---
1ukp	2.1	P 1	P 2 1 2 1 2 1	4	1	0.23	3.8	0.003	0.05	0.05	0.05	0.25	9.2
1s3m	2.5	I 4 1	I 4 1 2 2	2	1	0.00	1.7	0.001	0.05	0.05	0.05	0.40	2.1
1xqb	2.9	P 2 1 2 1 2	P 4 2 2 1 2	2	1	0.22	4.7	0.002	0.05	0.05	0.05	0.49	3.8
2p23	1.8	P 3	P 6 3	2	1	0.00	8.8	0.008	0.05	0.05	0.05	---	1.6
1et1	0.9	P 6 5	P 6 5 2 2	2	1	0.00	5.6	0.010	0.05	0.05	0.05	---	---
3foe	4.0	P 3 2	P 6 2	2	2	0.00	5.1	0.003	0.05	0.05	0.05	0.68	4.0
3fix	2.3	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.10	3.0	0.002	0.05	0.05	0.05	0.23	4.7
2bnk	2.9	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	1.2	0.000	0.06	0.04	0.04	0.23	2.0
1ov8	1.9	P 6 5	P 6 5 2 2	2	2	0.00	4.1	0.003	0.06	0.06	0.05	0.09	2.7
3hvd	3.2	P 1	I 4	4	2	0.17	5.2	0.004	0.06	0.05	0.05	3.22	8.6
3he8	1.9	P 3 2 2 1	P 6 2 2 2	2	1	0.00	5.0	0.003	0.06	0.06	0.06	0.07	---
1jd4	2.7	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	3.5	0.003	0.06	0.06	0.06	---	---
2uwb	2.0	P 6	P 6 2 2	2	1	0.00	4.1	0.004	0.06	0.06	0.06	0.08	2.4
2inu	1.8	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.02	5.6	0.007	0.06	0.06	0.06	---	2.7
3cdf	1.5	P 1 2 1 1	P 6 1	3	2	0.45	9.1	0.003	0.06	0.06	0.06	---	8.8
1gus	1.8	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	2	0.30	5.5	0.006	0.06	0.06	0.06	0.09	3.0
3kb1	2.9	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	1	0.09	1.7	0.002	0.06	0.05	0.05	0.50	---
2zz6	1.7	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.01	5.3	0.003	0.06	0.06	0.06	0.10	2.4
2vnk	1.9	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.03	4.7	0.002	0.06	0.06	0.06	---	3.8
3g01	2.5	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	2.4	0.001	0.06	0.06	0.06	0.18	1.8
1zwz	1.9	P 3 1	P 3 1 2 1	2	1	0.00	7.9	0.007	0.06	0.06	0.06	0.09	1.4
3e17	1.8	P 1	C 1 2 1	2	1	0.00	8.8	0.008	0.06	0.06	0.06	---	2.0
3cv2	1.4	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	1	0.06	6.6	0.006	0.06	0.05	0.05	0.05	3.7
2yzj	1.7	P 1	R 3 :H	3	1	0.03	5.9	0.006	0.06	0.06	0.06	0.21	---
2vax	2.6	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	6	0.03	3.7	0.001	0.06	0.06	0.05	0.24	3.0
1vhj	2.2	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	3	0.06	5.5	0.004	0.06	0.06	0.06	---	3.7
3czy	1.5	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	1	0.00	6.6	0.005	0.06	0.06	0.06	0.06	2.7
2wqk	1.5	P 3 2 2 1	P 6 2 2 2	2	1	0.00	4.9	0.002	0.06	0.06	0.06	0.04	---
1smq	3.1	P 1	C 1 2 1	2	2	0.08	4.5	0.007	0.06	0.06	0.04	---	---
1u9d	1.7	P 3	P 6 3	2	1	0.00	6.1	0.004	0.06	0.06	0.06	0.10	2.3
2dc4	1.7	P 3 2	P 3 2 2 1	2	1	0.00	8.2	0.010	0.06	0.06	0.06	0.18	1.9
1qun	2.8	C 1 2 1	P 4 1 2 1 2	4	4	0.07	1.3	0.000	0.06	0.06	0.06	---	---
3bj6	2.0	P 2 1 2 1 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.08	6.6	0.004	0.06	0.06	0.06	0.09	2.7
3b6x	2.0	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	7.3	0.010	0.06	0.06	0.06	0.11	1.0
2iwg	2.4	P 6 1	P 6 1 2 2	2	2	0.00	1.3	0.002	0.06	0.06	0.06	0.20	3.2
1yfl	3.1	P 1 2 1 1	P 4 3	2	2	0.02	2.2	0.000	0.06	0.06	0.06	0.36	---
3it1	1.7	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	3.9	0.003	0.06	0.06	0.06	0.25	---
2w2a	1.4	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	6.2	0.007	0.06	0.06	0.06	0.04	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
3it2	1.8	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	4.0	0.004	0.06	0.06	0.06	0.38	---
3d5r	2.1	P 41	P 41 21 2	2	2	0.00	2.8	0.001	0.06	0.06	0.06	---	4.3
2w2b	1.4	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	5.1	0.003	0.06	0.06	0.06	0.04	---
2vhv	2.8	P 21 3	P 43 3 2	2	1	0.00	4.2	0.002	0.06	0.06	0.06	0.25	3.0
2zz3	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.00	5.1	0.004	0.06	0.06	0.06	0.13	2.8
3g1y	1.4	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	5.0	0.005	0.06	0.06	0.06	0.23	1.3
2g07	2.3	P 32	P 62	2	1	0.00	5.4	0.004	0.06	0.06	0.06	0.18	---
2pp1	2.2	P 2 2 2	P 4 2 2	2	3	0.01	1.6	0.000	0.06	0.06	0.06	0.29	5.6
1xai	2.3	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	3.4	0.003	0.06	0.06	0.06	0.56	1.9
3hee	2.0	P 32 2 1	P 62 2 2	2	1	0.00	4.0	0.002	0.06	0.06	0.06	0.09	---
3fdq	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.03	1.8	0.001	0.06	0.00	0.00	---	5.0
3g89	1.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.1	0.007	0.06	0.06	0.06	0.23	3.3
3c1v	1.5	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	8.0	0.010	0.06	0.06	0.06	0.05	3.5
2f64	1.6	C 1 2 1	C 2 2 21	2	1	0.01	6.8	0.005	0.06	0.06	0.06	0.04	4.0
2v5r	3.0	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.06	2.3	0.001	0.06	0.06	0.06	---	6.2
2ddd	1.6	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.00	5.9	0.003	0.06	0.06	0.06	---	---
2c91	2.3	P 1	C 1 2 1	2	5	0.02	5.4	0.004	0.06	0.06	0.06	0.14	6.8
1f5v	1.7	P 1	C 1 2 1	2	1	0.37	3.8	0.002	0.06	0.06	0.06	---	5.0
1bqa	2.1	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.07	4.3	0.002	0.06	0.06	0.06	---	---
3g88	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.3	0.008	0.06	0.06	0.06	0.21	2.1
1vhw	1.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.03	5.7	0.005	0.07	0.07	0.06	---	3.0
2g7r	2.7	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.00	2.7	0.001	0.07	0.06	0.06	0.28	5.1
2o95	2.0	C 1 2 1	I 21 21 21	2	1	0.00	5.5	0.003	0.07	0.06	0.06	0.10	2.2
2bdu	2.4	P 32	P 62	2	1	0.00	4.1	0.002	0.07	0.07	0.07	0.15	---
2ddr	1.4	P 1	C 1 2 1	2	2	0.03	9.0	0.019	0.07	0.06	0.06	0.20	3.3
2vav	2.5	P 1 21 1	P 21 21 21	2	6	0.03	4.0	0.002	0.07	0.06	0.05	0.21	4.4
1ybt	2.3	P 1 2 1	P 21 21 2	2	2	0.00	5.0	0.002	0.07	0.07	0.06	0.39	2.5
3dca	3.4	R 3 :H	I 21 3	4	1	0.16	8.0	0.010	0.07	0.05	0.05	---	5.9
3f98	1.7	C 2 2 21	P 61 2 2	3	1	0.01	4.5	0.002	0.07	0.07	0.07	0.06	---
3fg7	2.0	P 31	P 61	2	1	0.00	2.0	0.000	0.07	0.06	0.06	0.12	2.3
2d3e	2.6	P 1	C 1 2 1	2	2	0.20	6.9	0.010	0.07	0.06	0.04	0.60	2.7
3cff	1.8	C 2 2 21	P 41 2 2	2	4	0.03	5.7	0.003	0.07	0.07	0.07	0.09	3.0
1w6x	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.18	5.8	0.006	0.07	0.06	0.06	0.47	6.0
2oqy	2.0	P 1	I 4	4	2	0.11	2.7	0.005	0.07	0.07	0.06	0.28	4.2
1jt7	1.7	C 1 2 1	C 2 2 21	2	2	0.00	4.5	0.004	0.07	0.07	0.07	---	2.6
3eo0	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.17	4.5	0.004	0.07	0.07	0.07	0.06	5.5
1jtc	1.7	C 1 2 1	C 2 2 21	2	2	0.02	5.2	0.005	0.07	0.07	0.07	---	3.9
3h0l	2.3	P 1	P 1 21 1	2	12	0.09	4.9	0.004	0.07	0.07	0.05	0.26	4.8
2w41	2.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.25	2.6	0.001	0.07	0.07	0.07	0.22	3.6
2ddc	1.6	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.01	7.0	0.006	0.07	0.07	0.07	---	---
3bdw	2.5	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.28	3.3	0.001	0.07	0.06	0.05	0.28	---
2h11	1.9	P 42	P 42 21 2	2	1	0.00	4.7	0.004	0.07	0.07	0.07	0.19	---
1r0m	1.3	P 4	P 4 21 2	2	2	0.00	7.5	0.007	0.07	0.07	0.07	0.02	2.2
1z9o	1.9	P 1	P 31 2 1	6	2	0.04	4.4	0.005	0.07	0.07	0.07	0.15	---
3d0e	2.0	P 32	P 65	2	1	0.00	6.5	0.004	0.07	0.07	0.07	0.14	3.9

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							$\varphi(g_i)$	(%)				Error (Å)	(%)
1oe8	1.6	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.06	7.0	0.005	0.07	0.07	0.07	0.10	3.4
3cn9	2.1	P 2 1 2 1 2	P 4 2 1 2	2	1	0.04	4.0	0.002	0.07	0.07	0.07	0.24	3.2
1xfz	3.2	C 1 2 1	P 6 5 2 2	6	2	0.17	1.6	0.004	0.07	0.06	0.06	0.73	4.1
2e6y	1.6	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.01	6.1	0.004	0.07	0.07	0.07	0.10	1.7
2bkx	1.4	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	1	0.06	8.1	0.006	0.07	0.04	0.04	0.03	5.2
2zad	1.6	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	7.3	0.008	0.07	0.07	0.07	0.05	5.8
2gf0	1.9	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.02	7.1	0.008	0.07	0.07	0.07	0.09	5.7
5pgm	2.1	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	4	0.15	2.8	0.002	0.07	0.07	0.03	---	3.9
3fgq	2.1	P 1	P 1 2 1 1	2	1	0.11	3.3	0.003	0.07	0.07	0.07	0.31	---
2idf	2.2	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	2.7	0.003	0.07	0.07	0.07	---	---
1azd	3.0	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	2	0.29	3.2	0.001	0.07	0.07	0.07	---	---
3fzz	2.5	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	2.6	0.002	0.07	0.07	0.07	0.23	1.9
2ac7	1.7	P 6 3	P 6 3 2 2	2	1	0.00	7.2	0.006	0.07	0.07	0.07	0.05	3.0
1mq8	3.3	P 1	C 1 2 1	2	2	0.08	2.2	0.001	0.07	0.07	0.07	0.90	7.7
1ww4	2.3	P 1	C 2 2 2 1	4	1	0.28	5.0	0.004	0.07	0.07	0.07	0.52	6.9
1m0b	2.5	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	2.6	0.001	0.07	0.07	0.07	0.25	3.3
3guw	3.2	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.28	2.3	0.002	0.08	0.07	0.07	0.76	---
2giz	1.7	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	1	0.18	5.7	0.004	0.08	0.07	0.07	---	2.4
1xpm	1.6	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.08	4.6	0.003	0.08	0.06	0.06	---	4.7
1hqj	1.7	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	4	0.00	4.9	0.002	0.08	0.07	0.07	0.12	6.6
1knz	2.5	P 1	P 1 2 1 1	2	4	0.01	7.2	0.006	0.08	0.07	0.07	---	---
1m2x	1.5	R 3 :H	I 2 3	4	1	0.02	6.3	0.003	0.08	0.07	0.07	0.08	7.8
2pzv	1.2	P 1	C 2 2 2 1	4	1	0.02	7.1	0.008	0.08	0.08	0.08	0.04	3.5
3hk2	2.8	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.16	3.2	0.001	0.08	0.07	0.07	0.36	---
1ynf	1.9	P 1	C 1 2 1	2	3	0.26	8.3	0.009	0.08	0.08	0.08	0.35	6.7
2jdj	2.0	P 3 2 1 2	P 6 2 2 2	2	1	0.00	5.8	0.005	0.08	0.08	0.08	0.11	0.9
1gwc	2.2	C 2 2 2 1	P 6 1 2 2	3	1	0.00	6.4	0.004	0.08	0.07	0.07	0.18	---
1tw7	1.3	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	4.6	0.004	0.08	0.08	0.08	---	1.6
1ob5	3.1	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.23	1.2	0.002	0.08	0.06	0.06	0.60	3.6
2r1t	1.7	P 3 1	P 3 1 2 1	2	1	0.00	7.8	0.009	0.08	0.08	0.08	---	---
3fgx	2.9	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	4.1	0.005	0.08	0.04	0.04	0.39	4.9
3bfo	1.1	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.02	7.2	0.007	0.08	0.08	0.08	0.03	3.5
2ag5	1.8	P 1	C 1 2 1	2	2	0.09	7.2	0.007	0.08	0.08	0.08	0.09	5.3
2oxl	1.8	C 2 2 2 1	P 4 3 2 2	2	1	0.02	5.5	0.003	0.08	0.08	0.08	0.10	---
1jlv	1.8	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	3	0.00	6.0	0.004	0.08	0.08	0.08	0.15	3.6
1om9	2.5	P 3 1 2 1	P 6 4 2 2	2	2	0.00	8.0	0.009	0.08	0.08	0.07	0.23	---
3fj5	1.6	P 6 5	P 6 5 2 2	2	1	0.00	4.2	0.003	0.08	0.08	0.08	0.06	1.9
3b7a	1.9	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	8.3	0.011	0.08	0.08	0.08	0.11	3.0
1zbl	2.2	P 1	C 1 2 1	2	1	0.13	4.0	0.002	0.08	0.08	0.08	0.42	3.8
2cz8	1.5	P 3	P 6 3	2	4	0.00	6.5	0.004	0.08	0.08	0.08	0.08	2.9
1xfw	3.4	C 1 2 1	P 6 5 2 2	6	2	0.22	2.0	0.005	0.08	0.06	0.06	0.70	4.6
3hjb	1.5	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.21	6.2	0.004	0.08	0.07	0.06	0.03	5.4
2qb1	2.6	P 3 1	P 6 4	2	1	0.00	2.2	0.000	0.08	0.06	0.06	0.27	2.9
3bp1	1.5	P 1	C 1 2 1	2	2	0.06	6.6	0.006	0.08	0.08	0.08	0.05	2.6
2on5	1.9	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	4	0.02	7.4	0.007	0.08	0.08	0.08	0.07	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop} (I_{obs})	
							$\varphi(g_i)$	(%)				Error (Å)	(%)
2rh0	1.9	P 1	C 1 2 1	2	2	0.16	6.1	0.005	0.08	0.08	0.08	0.14	---
1sc0	1.7	C 1 2 1	F 2 2 2	2	1	0.02	6.9	0.005	0.08	0.08	0.08	0.14	---
3h0m	2.8	P 1	P 1 2 1 1	2	12	0.11	4.2	0.003	0.08	0.08	0.07	0.41	8.3
2gd0	1.7	C 1 2 1	I 2 2 2	2	2	0.01	4.0	0.002	0.08	0.08	0.07	0.11	2.9
1je1	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	3	0.00	9.0	0.008	0.08	0.08	0.08	---	---
1nf7	2.7	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	5.5	0.005	0.08	0.08	0.08	0.48	9.1
1oe7	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.08	8.1	0.008	0.08	0.08	0.08	0.11	1.1
3hjo	1.9	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	1	0.07	6.5	0.005	0.08	0.08	0.08	0.09	---
2qg4	2.1	R 3 :H	R 3 2 :H	2	4	0.00	4.9	0.004	0.08	0.08	0.08	0.12	---
1rby	2.1	P 3 1	P 3 1 2 1	2	2	0.00	4.0	0.003	0.08	0.08	0.07	0.11	7.1
2z5c	2.9	P 2 1 2 1 2	P 4 2 1 2	2	3	0.18	1.5	0.000	0.08	0.04	0.04	0.28	3.9
3b6a	3.1	P 1	P 2 1 2 1 2 1	4	2	0.46	3.1	0.003	0.08	0.08	0.08	---	7.6
3eik	1.9	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	7.1	0.008	0.08	0.08	0.08	0.31	---
1wpu	1.5	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	5.5	0.003	0.08	0.08	0.08	0.12	1.2
2wmy	2.2	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	4	0.01	5.7	0.004	0.08	0.08	0.08	0.77	3.7
2ere	3.0	P 6 2	P 6 2 2 2	2	1	0.00	1.3	0.001	0.08	0.01	0.01	0.67	---
1pl8	1.9	P 6 2	P 6 2 2 2	2	2	0.00	3.7	0.003	0.08	0.07	0.06	0.24	---
1r0e	2.2	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.04	4.9	0.003	0.08	0.08	0.08	0.13	---
1t14	1.9	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	6.8	0.009	0.08	0.08	0.08	---	---
1izi	2.1	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	5.5	0.006	0.08	0.08	0.08	0.16	---
1zro	2.3	C 2 2 2 1	P 4 1 2 2	2	1	0.18	1.8	0.000	0.08	0.06	0.06	0.13	3.5
2axp	2.5	C 1 2 1	F 2 2 2	2	1	0.15	3.2	0.002	0.08	0.08	0.08	0.59	---
3k2j	2.2	P 6 5	P 6 5 2 2	2	1	0.00	5.6	0.006	0.08	0.08	0.08	0.19	---
3gyk	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.04	6.5	0.004	0.09	0.08	0.08	0.07	2.4
1jds	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	3	0.39	10.3	0.012	0.09	0.08	0.08	---	---
1h6d	2.1	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	6	0.00	6.0	0.004	0.09	0.09	0.08	0.28	4.8
3fmp	3.2	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.14	2.2	0.001	0.09	0.08	0.08	0.37	5.3
3cs2	2.0	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.06	5.6	0.005	0.09	0.09	0.08	0.11	4.8
3c3d	2.5	P 3 2	P 6 5	2	2	0.00	3.5	0.002	0.09	0.09	0.09	0.34	---
2w1v	1.5	P 3 2	P 3 2 2 1	2	1	0.00	9.0	0.008	0.09	0.09	0.09	0.04	1.2
1s7v	2.2	C 1 2 1	I 2 2 2	2	3	0.05	5.4	0.003	0.09	0.08	0.08	0.19	4.2
2qyh	2.6	P 2 1 2 1 2 1	P 4 1 2 1 2	2	2	0.04	3.5	0.001	0.09	0.09	0.09	0.39	2.1
1ffp	2.6	P 1	C 1 2 1	2	3	0.17	3.6	0.001	0.09	0.09	0.09	0.52	9.0
1te2	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.00	8.3	0.007	0.09	0.09	0.09	---	3.1
2o4q	2.0	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.06	5.4	0.005	0.09	0.09	0.09	0.11	4.8
2p1r	2.5	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.00	6.1	0.004	0.09	0.09	0.09	0.52	3.7
2dds	1.8	P 1	C 1 2 1	2	2	0.05	6.7	0.006	0.09	0.09	0.09	0.17	2.2
2clb	2.4	I 2 1 3	I 4 1 3 2	2	4	0.00	4.1	0.002	0.09	0.09	0.09	0.19	1.9
3g8a	2.1	P 6 1	P 6 1 2 2	2	3	0.00	6.2	0.007	0.09	0.09	0.09	0.29	3.4
3ehr	2.0	P 1	C 1 2 1	2	1	0.08	10.4	0.012	0.09	0.09	0.09	0.11	3.4
2f4p	1.9	P 6 5	P 6 5 2 2	2	2	0.00	6.1	0.007	0.09	0.09	0.09	0.10	---
1xfv	3.4	C 1 2 1	P 6 5 2 2	6	2	0.22	2.0	0.001	0.09	0.07	0.07	0.69	5.0
2p4u	1.9	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.01	5.0	0.004	0.09	0.09	0.09	0.11	4.8
2j4y	3.4	P 3 1	P 6 4	2	1	0.00	3.1	0.001	0.09	0.09	0.09	0.88	10.9
2g75	2.3	P 3 1	P 3 1 2 1	2	2	0.00	5.7	0.006	0.09	0.09	0.09	0.47	3.0

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. Error			R_{symop} (I_{obs}) (%)
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	(Å)	
1zgs	2.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.05	3.2	0.001	0.09	0.09	0.09	---	1.8
1f1g	1.4	P 1	R 3 2 :H	6	1	0.24	8.4	0.006	0.09	0.07	0.07	---	9.5
2ayb	3.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	2.6	0.001	0.09	0.09	0.09	0.40	---
1oar	2.2	P 21 21 21	P 41 21 2	2	4	0.03	7.8	0.005	0.09	0.08	0.02	0.15	2.2
2pbf	2.0	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	6.5	0.008	0.09	0.09	0.09	0.17	2.1
2f3m	2.7	P 1	C 1 2 1	2	3	0.07	4.4	0.003	0.09	0.09	0.08	0.38	5.7
3cfh	1.8	C 2 2 21	P 41 2 2	2	4	0.02	6.0	0.004	0.09	0.09	0.09	0.09	3.3
1j1a	2.2	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	3.6	0.002	0.09	0.09	0.09	0.40	2.6
3ekt	2.0	P 61	P 61 2 2	2	2	0.00	5.8	0.004	0.09	0.09	0.09	0.13	---
1e6c	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.04	3.6	0.003	0.09	0.09	0.09	---	---
2vh9	2.1	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	5.3	0.004	0.09	0.09	0.09	0.10	4.6
2ddt	1.8	P 1	C 1 2 1	2	1	0.06	6.2	0.003	0.09	0.08	0.08	0.09	5.1
3es8	2.2	P 1	I 4	4	2	0.14	3.4	0.002	0.09	0.05	0.04	0.52	8.5
1ww6	2.2	P 1	C 2 2 21	4	1	0.17	4.5	0.004	0.09	0.08	0.08	0.43	3.5
1uko	2.1	P 1	P 21 21 21	4	1	0.14	7.3	0.005	0.09	0.09	0.09	0.25	13.9
1aaq	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	3.9	0.003	0.09	0.09	0.09	---	---
1pl7	2.2	P 62	P 62 2 2	2	2	0.00	3.8	0.002	0.09	0.07	0.07	0.26	---
2q63	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	3.8	0.003	0.09	0.09	0.09	0.20	1.5
2gf7	2.2	R 3 2 :H	I 41 3 2	4	1	0.01	8.6	0.008	0.09	0.09	0.09	---	3.6
3cxg	2.0	P 2 3	P 42 3 2	2	1	0.00	7.4	0.007	0.09	0.09	0.09	0.12	---
2a9w	1.6	R 3 :H	I 21 3	4	1	0.03	6.6	0.006	0.09	0.09	0.09	0.23	3.6
3gve	1.2	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.06	6.5	0.006	0.09	0.07	0.07	0.12	5.8
3eut	2.0	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.10	5.9	0.004	0.09	0.09	0.09	0.11	3.3
2fyx	1.9	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	4.5	0.005	0.09	0.09	0.09	0.07	---
2guj	3.0	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	7.7	0.008	0.09	0.06	0.06	0.94	---
1u0q	1.6	P 32 2 1	P 65 2 2	2	1	0.00	10.2	0.009	0.09	0.09	0.09	---	---
3g1s	1.4	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	7.3	0.008	0.09	0.09	0.09	0.13	1.3
1y6o	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.03	6.7	0.006	0.09	0.09	0.09	0.24	3.5
2dsa	2.1	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	3.9	0.004	0.09	0.09	0.09	0.14	1.9
3imd	2.0	P 21 21 21	P 43 21 2	2	1	0.01	9.0	0.007	0.09	0.09	0.09	---	---
2gdf	2.4	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	2.8	0.001	0.10	0.07	0.06	---	---
2h6l	2.0	P 1	R 3 :H	3	1	0.07	6.4	0.007	0.10	0.09	0.09	0.22	---
2vj4	2.5	P 2 2 2	P 42 2 2	2	1	0.02	2.9	0.001	0.10	0.09	0.09	---	3.3
3cse	1.6	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	7.8	0.011	0.10	0.10	0.10	0.07	---
1b8z	1.6	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	8.3	0.013	0.10	0.09	0.09	---	1.5
1v40	1.9	P 1	P 1 21 1	2	2	0.02	7.1	0.007	0.10	0.10	0.10	0.21	3.3
1les	1.9	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.01	7.0	0.007	0.10	0.10	0.10	---	7.4
2p6h	2.0	P 3	P 3 2 1	2	1	0.00	5.1	0.003	0.10	0.09	0.09	0.25	0.9
2jk6	3.0	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	3.7	0.002	0.10	0.10	0.10	0.26	3.1
1d01	2.0	P 1 21 1	P 63	3	3	0.00	4.2	0.002	0.10	0.10	0.10	---	4.8
2bii	1.7	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.17	5.8	0.003	0.10	0.08	0.08	0.06	8.4
2og9	1.9	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	7.0	0.007	0.10	0.10	0.10	0.18	1.7
3dwm	2.7	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.10	5.1	0.005	0.10	0.10	0.10	0.26	4.6
1idp	1.4	P 1 21 1	P 63	3	1	0.03	6.6	0.004	0.10	0.10	0.10	---	---
2e0m	1.7	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	6.9	0.007	0.10	0.10	0.10	0.06	1.6

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)					Error (Å)	(I_{obs}) (%)
2vvr	2.1	C 1 2 1	P 3 2 2 1	3	2	0.11	6.2	0.005	0.10	0.10	0.10	0.13	9.0
1ros	2.0	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	9.4	0.010	0.10	0.10	0.10	---	4.9
1ffn	2.7	P 1	C 1 2 1	2	3	0.04	3.8	0.002	0.10	0.10	0.10	0.64	10.5
2p6c	2.0	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	5.9	0.004	0.10	0.10	0.10	0.15	1.2
2p91	2.0	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	2	0.09	9.7	0.008	0.10	0.08	0.08	---	3.6
3fof	4.0	P 3 2	P 6 2	2	2	0.00	5.4	0.003	0.10	0.10	0.10	0.60	---
2a8y	1.5	P 1	C 1 2 1	2	6	0.04	5.8	0.004	0.10	0.10	0.10	0.12	4.6
2fkp	2.0	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	7.5	0.008	0.10	0.10	0.10	0.11	3.7
2pym	1.9	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	5.7	0.007	0.10	0.10	0.10	0.14	1.2
1gut	1.5	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	2	0.01	9.5	0.007	0.10	0.10	0.10	0.06	6.1
2fdd	1.6	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	8.4	0.009	0.10	0.10	0.10	---	1.2
1xaj	2.4	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	4.0	0.004	0.10	0.10	0.10	0.53	3.2
2r89	3.4	C 2 2 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.06	1.6	0.000	0.10	0.10	0.10	0.40	3.3
2pdr	1.7	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.06	7.7	0.009	0.10	0.10	0.10	---	6.2
2yww	1.8	P 1	C 1 2 1	2	1	0.02	8.1	0.010	0.10	0.10	0.10	0.15	2.5
1t8b	3.2	P 3 2	P 3 2 2 1	2	1	0.00	3.1	0.008	0.10	0.09	0.09	0.53	2.4
3clc	2.8	P 6 5	P 6 5 2 2	2	2	0.00	2.3	0.002	0.10	0.07	0.06	0.25	3.7
3hm3	2.0	P 2 1 3	P 4 3 3 2	2	2	0.00	5.8	0.005	0.10	0.10	0.10	0.11	0.6
1u8t	1.5	P 1	C 1 2 1	2	3	0.10	8.8	0.009	0.10	0.10	0.10	---	3.1
1ffo	2.7	P 1	C 1 2 1	2	3	0.09	3.4	0.002	0.10	0.10	0.10	0.52	10.2
1rl8	2.0	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	4.1	0.005	0.10	0.10	0.10	0.40	1.1
3k2c	1.9	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.02	5.4	0.003	0.10	0.10	0.10	0.10	---
1nfb	2.9	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	5.7	0.006	0.11	0.08	0.08	0.53	7.0
2vw5	1.9	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	2	0.02	9.6	0.009	0.11	0.10	0.10	0.08	5.5
3cfa	1.8	C 2 2 2 1	P 4 1 2 2	2	4	0.05	7.7	0.006	0.11	0.10	0.10	0.08	3.8
2ctz	2.6	I 4 1	I 4 1 2 2	2	1	0.00	4.2	0.003	0.11	0.11	0.11	0.12	---
1xah	2.2	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	6.3	0.010	0.11	0.10	0.10	0.39	1.9
3hqm	1.7	P 1	C 1 2 1	2	2	0.44	10.3	0.010	0.11	0.09	0.09	0.07	---
2hz5	2.1	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	10.3	0.022	0.11	0.11	0.11	0.09	1.2
2zgz	2.2	P 4 1	P 4 1 2 2	2	1	0.00	3.0	0.003	0.11	0.11	0.11	0.28	1.6
2g2x	2.3	C 1 2 1	P 3 2 2 1	3	1	0.00	7.1	0.005	0.11	0.11	0.11	0.24	1.4
2hms	2.7	P 3 1 1 2	P 6 4 2 2	2	2	0.00	2.9	0.001	0.11	0.11	0.10	---	1.4
1t1f	2.8	P 1 2 1 1	P 6 5	3	1	0.04	2.3	0.000	0.11	0.02	0.02	---	6.3
1bqd	2.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.02	5.8	0.003	0.11	0.11	0.11	---	---
2f35	1.9	C 2 2 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.02	11.6	0.016	0.11	0.10	0.10	0.09	2.0
1zsv	2.3	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	2	0.00	4.5	0.004	0.11	0.11	0.11	0.18	4.5
1ju9	2.0	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.12	6.4	0.006	0.11	0.11	0.11	0.14	---
2qs3	1.8	C 2 2 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.04	6.7	0.005	0.11	0.10	0.10	0.07	1.6
1tt9	3.4	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	8.1	0.008	0.11	0.07	0.02	0.76	---
3cch	2.6	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	6	0.00	2.6	0.001	0.11	0.11	0.11	0.27	2.9
2fkz	2.0	R 3 :H	R 3 2 :H	2	4	0.00	9.2	0.012	0.11	0.11	0.11	0.24	5.0
3hbw	1.9	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.02	7.1	0.007	0.11	0.11	0.11	---	1.6
2cv9	2.5	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	2	0.00	5.3	0.004	0.11	0.11	0.11	0.35	---
3kqf	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	3	0.05	9.8	0.010	0.11	0.10	0.10	0.06	---
1z6t	2.2	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.06	6.8	0.009	0.11	0.11	0.11	---	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop} (I_{obs})	
							$\phi(g_i)$	(%)				Error (Å)	(%)
2e0l	1.6	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	7.3	0.008	0.11	0.11	0.11	0.06	1.1
2z54	2.4	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	5.7	0.006	0.11	0.11	0.11	0.22	2.7
2hp4	2.1	P 64	P 64 2 2	2	1	0.00	4.3	0.004	0.11	0.11	0.11	0.12	5.3
2wer	1.6	P 2 2 21	P 43 2 2	2	1	0.04	4.6	0.002	0.11	0.11	0.11	0.09	2.8
2vat	2.4	P 1 21 1	P 21 21 21	2	6	0.23	5.6	0.003	0.11	0.11	0.07	0.14	2.9
3ehk	3.2	P 41	P 41 2 2	2	3	0.00	3.4	0.002	0.11	0.11	0.09	0.43	---
2pfd	3.4	P 4	P 4 21 2	2	2	0.00	4.3	0.004	0.11	0.07	0.02	0.46	11.9
2c9d	2.8	P 1	C 1 2 1	2	5	0.12	10.8	0.018	0.11	0.10	0.08	0.41	12.4
2p38	1.8	C 1 2 1	F 2 2 2	2	1	0.01	7.3	0.006	0.11	0.11	0.11	0.09	1.7
1q2x	2.0	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.00	6.4	0.006	0.11	0.11	0.11	0.37	2.4
2jat	2.6	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	7.0	0.006	0.11	0.11	0.11	0.31	1.6
1egw	1.5	P 1	P 1 21 1	2	2	0.01	4.9	0.004	0.11	0.06	0.06	0.16	5.0
3ggg	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	9.0	0.014	0.11	0.11	0.11	0.12	1.0
3f4w	1.6	P 4	P 4 21 2	2	1	0.00	6.8	0.007	0.11	0.11	0.11	0.25	3.5
1ylo	2.2	I 41	F 41 3 2	6	1	0.07	5.3	0.004	0.11	0.11	0.11	0.12	4.4
2qdi	2.0	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	8.1	0.011	0.11	0.11	0.11	0.16	2.4
1aib	2.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.17	5.2	0.003	0.11	0.10	0.10	---	---
3k44	2.1	P 1 2 1	P 21 21 2	2	2	0.01	3.3	0.003	0.11	0.11	0.11	---	---
1bay	2.0	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	6.4	0.006	0.11	0.11	0.11	---	6.3
2hrq	2.7	P 1 21 1	P 21 21 21	2	3	0.01	5.2	0.004	0.11	0.11	0.11	0.38	---
2fle	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.9	0.009	0.11	0.11	0.11	---	1.7
1zsr	2.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.5	0.009	0.11	0.11	0.11	---	1.9
2b6m	2.7	P 32	P 62	2	1	0.00	3.9	0.002	0.11	0.11	0.11	---	2.1
2c2b	2.6	C 1 2 1	P 31 2 1	3	2	0.03	5.4	0.004	0.11	0.11	0.11	0.27	4.9
2zgy	1.9	P 41	P 41 2 2	2	1	0.00	3.5	0.003	0.11	0.11	0.11	0.20	1.6
3kb4	2.4	C 1 2 1	I 2 2 2	2	2	0.16	3.0	0.002	0.11	0.11	0.11	0.27	---
3bcg	2.5	P 31	P 64	2	1	0.00	3.2	0.001	0.11	0.09	0.09	---	---
3ekp	2.1	P 61	P 61 2 2	2	2	0.00	5.5	0.005	0.11	0.11	0.11	0.16	---
3ds5	2.4	P 1	I 41	4	1	0.06	5.2	0.003	0.12	0.11	0.11	0.19	2.3
3fho	2.8	C 1 2 1	C 2 2 21	2	1	0.04	6.7	0.004	0.12	0.11	0.11	0.35	---
2isk	2.1	P 1 21 1	P 21 21 21	2	4	0.01	8.4	0.009	0.12	0.12	0.12	---	7.7
3e1y	3.8	P 43	P 43 21 2	2	4	0.00	1.7	0.002	0.12	0.12	0.11	0.71	---
4vhh	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.15	8.2	0.009	0.12	0.11	0.11	---	---
2z4b	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.1	0.009	0.12	0.12	0.12	0.37	3.0
3fwx	2.0	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.14	8.4	0.009	0.12	0.11	0.11	0.12	5.5
1gc0	1.7	P 1	I 2 2 2	4	1	0.24	11.0	0.012	0.12	0.12	0.12	0.09	3.4
1zlk	3.1	C 1 2 1	I 21 21 21	2	1	0.12	8.5	0.010	0.12	0.07	0.07	0.39	5.1
1nlx	2.8	P 21 21 21	P 43 21 2	2	7	0.25	4.8	0.003	0.12	0.12	0.09	0.47	5.4
1vc1	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.00	7.9	0.010	0.12	0.12	0.12	0.20	1.7
3gua	3.1	P 41	P 41 21 2	2	5	0.00	4.3	0.002	0.12	0.12	0.12	0.39	---
2zw2	1.6	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.01	10.2	0.009	0.12	0.12	0.12	0.18	---
3i4j	1.7	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.02	6.4	0.004	0.12	0.12	0.12	0.21	2.2
3bfv	1.8	P 1	C 1 2 1	2	1	0.05	8.8	0.008	0.12	0.12	0.12	0.08	4.8
2w3o	1.9	P 3	P 3 1 2	2	2	0.00	5.5	0.004	0.12	0.12	0.12	0.10	2.6
3f7f	2.6	P 1	P 21 21 2	4	1	0.25	2.7	0.002	0.12	0.10	0.10	---	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. Error			R_{symop} (I_{obs}) (%)
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	(Å)	
3c37	1.7	P 1	C 1 2 1	2	1	0.06	6.8	0.005	0.12	0.12	0.12	0.09	1.5
2nt0	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.28	6.7	0.005	0.12	0.12	0.12	0.08	5.0
3g7v	1.9	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.02	6.5	0.005	0.12	0.12	0.12	0.07	5.6
1m4v	1.9	P 63	P 63 2 2	2	1	0.00	8.1	0.009	0.12	0.12	0.12	0.19	3.7
3eno	3.0	P 65	P 65 2 2	2	3	0.00	4.0	0.006	0.12	0.12	0.11	---	4.5
3cv6	2.1	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	6.1	0.005	0.12	0.12	0.12	0.14	3.2
1nzk	1.9	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	2	0.02	5.8	0.005	0.12	0.12	0.12	---	2.2
2bni	1.5	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	10.0	0.026	0.12	0.12	0.12	---	2.4
2rkf	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	8.6	0.014	0.12	0.12	0.12	0.11	1.5
1r8h	1.9	P 61	P 61 2 2	2	3	0.00	5.6	0.006	0.12	0.12	0.12	0.12	1.3
3ivt	2.7	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	5.4	0.005	0.12	0.12	0.12	0.16	---
2zdc	2.0	P 1	R 3 :H	3	1	0.07	8.6	0.007	0.12	0.12	0.12	0.32	6.7
2qfr	2.4	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	5.8	0.005	0.12	0.12	0.12	---	5.3
2w9t	3.0	P 1 2 1 1	P 43	2	1	0.04	5.4	0.003	0.12	0.12	0.12	0.17	3.8
2qak	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	7.4	0.012	0.12	0.12	0.12	---	2.1
2zwm	2.0	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	3.7	0.003	0.12	0.12	0.12	0.12	1.8
3gk0	2.3	P 1	C 1 2 1	2	4	0.05	7.6	0.008	0.12	0.12	0.12	0.17	7.6
1xpj	2.3	P 1 2 1 1	P 21 21 2	2	2	0.20	8.5	0.011	0.12	0.12	0.12	0.19	2.4
3gcf	2.3	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	5	0.00	5.9	0.007	0.12	0.12	0.12	---	---
3fdw	2.2	P 1 2 1 1	P 21 21 2	2	1	0.01	4.3	0.003	0.12	0.12	0.12	0.16	2.5
3d4g	2.3	P 1	P 21 21 2	4	2	0.18	3.9	0.004	0.13	0.12	0.12	0.20	6.4
2g1p	1.9	P 1 2 1 1	P 21 21 2 1	2	1	0.03	6.6	0.007	0.13	0.12	0.12	0.21	---
1su1	2.2	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	6.7	0.007	0.13	0.13	0.12	---	2.8
3gz6	2.9	P 32 1 2	P 65 2 2	2	1	0.00	3.9	0.003	0.13	0.13	0.13	0.36	2.5
2gt2	2.0	P 32	P 65	2	2	0.00	12.9	0.017	0.13	0.12	0.12	0.15	---
2pkr	2.4	P 1 2 1 1	P 21 21 2	2	6	0.04	7.9	0.006	0.13	0.13	0.12	0.40	4.1
2vfx	2.0	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	6	0.02	8.5	0.009	0.13	0.13	0.13	0.12	3.9
3jze	1.8	P 1 2 1 1	P 21 21 2 1	2	2	0.35	8.6	0.008	0.13	0.12	0.11	0.06	---
2ra6	1.5	P 1 2 1 1	P 21 21 2	2	2	0.02	9.0	0.012	0.13	0.13	0.13	---	2.3
1t9k	2.6	P 31 2 1	P 61 2 2	2	2	0.00	3.6	0.002	0.13	0.13	0.13	0.52	---
1c9t	3.3	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	6	0.29	7.4	0.005	0.13	0.11	0.08	---	14.9
2o30	1.7	P 1 2 1 1	P 21 21 2 1	2	1	0.08	10.4	0.014	0.13	0.12	0.12	0.09	2.9
1t5r	2.0	P 43	P 43 21 2	2	4	0.00	6.5	0.008	0.13	0.13	0.13	0.34	1.9
3ddm	2.6	P 21 21 2 1	P 43 21 2	2	2	0.02	3.8	0.002	0.13	0.13	0.13	0.59	3.6
1jti	2.3	P 1	C 1 2 1	2	1	0.16	5.4	0.006	0.13	0.13	0.13	0.35	---
2gce	1.9	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	2	0.07	5.5	0.006	0.13	0.13	0.13	0.13	3.0
1ybu	2.4	P 1 2 1	P 21 21 2	2	2	0.00	4.4	0.003	0.13	0.13	0.13	0.47	2.6
1lzq	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	4.1	0.005	0.13	0.12	0.12	0.34	2.3
3iru	2.3	P 3 2 1	P 63 2 2	2	1	0.00	7.0	0.007	0.13	0.13	0.13	0.16	---
2o7m	2.0	P 43	P 43 2 2	2	1	0.00	5.7	0.006	0.13	0.13	0.13	0.10	---
2i0g	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	5.2	0.008	0.13	0.13	0.13	0.43	1.9
3bcx	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	6.2	0.006	0.13	0.13	0.13	---	---
1pt8	2.2	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	5.0	0.004	0.13	0.13	0.13	0.10	4.7
3ced	2.1	I 4 2 2	I 4 3 2	3	1	0.20	6.4	0.004	0.13	0.06	0.06	0.08	---
2efr	1.8	P 1	P 1 2 1 1	2	2	0.09	10.2	0.018	0.13	0.13	0.13	0.29	3.8

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)					Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1npm	2.1	P 1	C 1 2 1	2	1	0.09	4.1	0.005	0.13	0.02	0.02	---	---
2pms	2.9	P 32	P 65	2	2	0.00	4.8	0.003	0.13	0.13	0.13	0.27	4.7
2fl0	2.7	R 3 :H	R 3 2 :H	2	4	0.00	7.0	0.008	0.13	0.13	0.13	0.44	---
3hvu	2.0	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.03	6.3	0.006	0.13	0.13	0.13	0.12	4.5
2awh	2.0	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	1	0.04	8.8	0.012	0.13	0.13	0.13	0.13	5.3
1vg8	1.7	P 1	C 1 2 1	2	2	0.04	9.4	0.014	0.13	0.13	0.13	0.17	3.4
1xpl	2.0	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.03	5.5	0.004	0.13	0.13	0.13	---	4.7
2hqm	2.4	P 42	P 42 2 1 2	2	1	0.00	7.7	0.008	0.13	0.13	0.13	0.27	3.5
2dyk	2.0	P 1	C 1 2 1	2	1	0.07	10.4	0.012	0.13	0.13	0.13	0.19	4.7
3g7g	2.0	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	4	0.07	11.0	0.017	0.14	0.13	0.13	0.14	3.4
2fbl	1.9	P 32 2 1	P 65 2 2	2	1	0.00	10.8	0.011	0.14	0.13	0.13	0.11	1.9
3b86	2.0	P 43	P 43 2 1 2	2	1	0.00	8.0	0.014	0.14	0.13	0.13	---	2.7
3g8k	2.0	I 2 2 2	I 4 2 2	2	1	0.00	7.4	0.007	0.14	0.13	0.13	0.17	---
2nnw	2.7	P 3 1 1 2	P 6 1 2 2	2	2	0.00	2.7	0.001	0.14	0.13	0.13	---	4.1
2pjl	2.3	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	7.2	0.008	0.14	0.14	0.14	0.20	1.7
2g9z	2.0	P 1	C 1 2 1	2	1	0.06	7.6	0.007	0.14	0.14	0.14	---	3.0
3cf2	3.5	P 3	P 6 2 2	4	1	0.00	2.1	0.001	0.14	0.00	0.00	1.15	---
2r8e	1.4	P 1	I 4	4	2	0.11	6.9	0.007	0.14	0.14	0.13	0.03	3.5
2gu9	1.4	P 1	C 1 2 1	2	1	0.09	12.2	0.029	0.14	0.13	0.13	---	---
3esi	2.5	P 41	P 4 1 2 1 2	2	2	0.00	3.0	0.002	0.14	0.14	0.14	0.36	---
1rbq	2.1	P 31	P 3 1 2 1	2	2	0.00	5.1	0.005	0.14	0.13	0.11	0.11	10.3
1xs2	2.3	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	6.9	0.007	0.14	0.14	0.14	0.16	---
2w9s	1.8	P 1 2 1	P 62	3	2	0.00	5.4	0.003	0.14	0.13	0.13	0.08	5.5
2nnn	2.4	P 31	P 3 1 2 1	2	5	0.00	6.4	0.007	0.14	0.14	0.14	0.20	---
1gzm	2.6	P 31	P 64	2	1	0.00	3.8	0.002	0.14	0.14	0.14	0.46	4.1
1uzi	1.9	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	6.2	0.007	0.14	0.14	0.14	0.10	2.1
3eej	2.1	P 41	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	7.6	0.012	0.14	0.14	0.14	0.14	1.8
1j48	1.8	P 31	P 3 1 2 1	2	1	0.00	7.9	0.009	0.14	0.14	0.14	---	---
3bx8	2.0	P 1	C 1 2 1	2	4	0.03	7.5	0.006	0.14	0.14	0.14	---	3.6
2ntt	1.6	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	1	0.02	7.1	0.006	0.14	0.14	0.14	0.05	3.5
1pro	1.8	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	8.7	0.019	0.14	0.14	0.14	---	---
2fb5	2.0	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.04	7.4	0.008	0.14	0.14	0.14	0.09	3.1
2nsx	2.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.03	6.3	0.006	0.14	0.14	0.14	0.13	4.6
3cpq	1.9	P 43	P 43 2 1 2	2	1	0.00	7.2	0.011	0.14	0.14	0.14	0.13	1.4
1mzn	1.9	P 1	C 1 2 1	2	4	0.02	7.2	0.007	0.14	0.14	0.13	---	---
1zg5	2.3	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.00	5.7	0.007	0.14	0.14	0.14	0.40	2.6
2f8f	2.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.09	11.4	0.014	0.14	0.14	0.14	0.17	3.2
2w1k	2.1	P 2 3	P 4 3 2	2	1	0.00	5.8	0.004	0.14	0.14	0.14	0.14	5.1
2q6o	2.0	P 3	P 3 2 1	2	1	0.00	7.2	0.006	0.15	0.14	0.14	0.17	---
2cg4	2.4	P 4	P 4 2 2	2	1	0.00	5.0	0.006	0.15	0.14	0.14	0.20	4.7
2qtu	2.5	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	5.7	0.011	0.15	0.14	0.14	0.56	1.9
2hjd	2.1	P 43	P 43 2 1 2	2	2	0.00	6.9	0.008	0.15	0.14	0.14	0.23	0.7
2qgq	2.0	P 1	C 2 2 2 1	4	2	0.04	9.0	0.011	0.15	0.14	0.14	0.18	---
2fpz	2.0	P 31	P 3 1 2 1	2	2	0.00	8.3	0.010	0.15	0.15	0.14	0.24	4.0
2aqu	2.0	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	9.6	0.016	0.15	0.15	0.15	0.28	3.0

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)	$\phi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
2z6y	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.05	7.7	0.006	0.15	0.15	0.15	0.22	---
3fht	2.2	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.02	11.4	0.017	0.15	0.15	0.15	0.14	5.2
1v9e	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	8.9	0.014	0.15	0.15	0.15	0.34	2.5
2ntd	2.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.31	7.0	0.007	0.15	0.15	0.15	0.36	4.2
3ebk	1.9	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	4.8	0.006	0.15	0.15	0.15	---	---
3gxi	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.05	6.6	0.006	0.15	0.15	0.15	0.10	3.3
1u4j	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	5.5	0.004	0.15	0.15	0.15	0.19	---
1bwb	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.6	0.027	0.15	0.15	0.15	---	---
1wyy	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	5.2	0.002	0.15	0.15	0.15	0.27	4.2
1sed	2.1	P 1	R 3 :H	3	1	0.44	6.8	0.004	0.15	0.13	0.13	0.19	5.8
3eek	2.0	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	8.0	0.013	0.15	0.15	0.15	0.15	2.8
2az5	2.1	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	9.9	0.010	0.15	0.15	0.15	0.15	4.7
3dto	3.3	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.01	2.9	0.001	0.15	0.15	0.15	0.87	---
2r4b	2.4	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.6	0.010	0.15	0.15	0.15	0.25	3.5
1y9k	2.4	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	9.8	0.018	0.15	0.15	0.15	0.16	1.4
1hm0	2.3	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	3.8	0.002	0.15	0.15	0.15	---	4.7
1xss	1.6	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.09	6.4	0.004	0.15	0.15	0.15	---	---
3cue	3.7	P 1 21 1	P 41 21 2	4	6	0.28	2.3	0.002	0.15	0.10	0.06	---	6.1
1ylq	2.0	P 32 2 1	P 65 2 2	2	1	0.00	10.4	0.012	0.15	0.15	0.15	0.13	1.3
2jhv	2.1	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	2	0.23	6.4	0.005	0.15	0.14	0.14	0.15	11.3
1wmq	1.6	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	10.3	0.013	0.15	0.15	0.15	0.22	1.1
1mw5	2.1	P 64	P 64 2 2	2	1	0.00	6.2	0.009	0.16	0.15	0.15	---	1.2
2qe2	2.9	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.03	6.3	0.004	0.16	0.15	0.15	0.40	1.5
2idr	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	7.4	0.011	0.16	0.15	0.15	---	1.5
1g2x	2.5	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.02	7.6	0.008	0.16	0.15	0.15	0.36	4.0
2qs1	1.8	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.00	7.5	0.006	0.16	0.16	0.16	0.08	2.1
2ggj	2.5	P 4	P 4 21 2	2	2	0.00	7.3	0.007	0.16	0.16	0.16	0.15	4.8
2znz	2.4	P 1 2 1	C 2 2 2	2	4	0.12	8.3	0.008	0.16	0.15	0.15	---	4.9
3ec3	1.9	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	8.6	0.012	0.16	0.15	0.15	0.10	1.0
1yak	2.5	C 2 2 21	P 41 21 2	2	2	0.02	5.3	0.004	0.16	0.15	0.15	0.42	2.6
2nt1	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.19	6.8	0.005	0.16	0.16	0.16	0.16	5.1
1jxo	2.3	P 1	P 1 21 1	2	1	0.04	9.5	0.011	0.16	0.16	0.16	0.28	2.7
2ise	2.2	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.00	7.4	0.009	0.16	0.16	0.16	0.37	---
1i0c	2.0	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	10.4	0.020	0.16	0.15	0.15	0.21	4.4
2v8v	2.9	P 1	C 1 2 1	2	2	0.51	6.3	0.005	0.16	0.16	0.16	0.32	8.7
1zg1	2.3	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.07	5.5	0.006	0.16	0.16	0.15	0.44	1.8
1sgu	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.9	0.022	0.16	0.16	0.16	0.20	2.5
1jdv	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.00	9.3	0.010	0.16	0.16	0.15	---	---
2nud	2.3	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.08	9.3	0.011	0.16	0.16	0.16	0.31	4.9
2rab	2.5	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	7.3	0.009	0.16	0.16	0.16	0.18	3.0
2a1f	2.1	P 1	C 1 2 1	2	3	0.14	9.6	0.010	0.16	0.16	0.16	0.14	8.4
3gr0	2.3	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	12.1	0.027	0.16	0.16	0.16	0.17	1.6
3cyk	1.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.02	9.0	0.010	0.16	0.16	0.16	0.04	1.9
1hdu	1.8	P 1	P 1 21 1	2	2	0.00	8.1	0.008	0.16	0.11	0.07	---	---
1hee	1.8	P 1	P 1 21 1	2	2	0.00	8.1	0.008	0.16	0.11	0.07	---	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1lyq	1.5	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	10.3	0.014	0.16	0.16	0.16	0.10	3.9
3bb8	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	5.9	0.006	0.16	0.16	0.16	---	---
1r0d	1.9	C 1 2 1	F 2 2 2	2	4	0.04	8.9	0.010	0.16	0.16	0.16	0.33	---
3dby	2.1	R 3 :H	R 3 2 :H	2	10	0.00	6.5	0.006	0.16	0.16	0.16	0.14	---
1ddn	3.0	P 41	P 41 21 2	2	2	0.00	5.6	0.005	0.16	0.16	0.16	---	---
3gmw	2.1	P 1	C 1 2 1	2	2	0.18	7.0	0.006	0.16	0.16	0.16	0.12	4.9
1sql	2.2	P 1	P 1 21 1	2	8	0.15	10.3	0.014	0.16	0.16	0.16	---	5.1
2c10	2.5	P 43	P 43 21 2	2	2	0.00	5.2	0.004	0.16	0.16	0.16	0.17	7.4
2b7z	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.9	0.024	0.16	0.16	0.16	---	3.1
1g0z	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	7.0	0.006	0.16	0.16	0.16	0.23	---
1dc3	2.5	I 41	I 41 2 2	2	1	0.00	6.4	0.008	0.17	0.17	0.17	---	1.1
3hhl	2.6	R 3 :H	I 21 3	4	1	0.11	6.7	0.006	0.17	0.16	0.16	0.12	3.2
2hen	2.6	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.18	7.0	0.007	0.17	0.16	0.16	0.41	3.9
1zkd	2.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	7.0	0.008	0.17	0.17	0.17	0.18	---
2c80	2.3	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	8.6	0.011	0.17	0.17	0.17	0.18	3.2
2ojt	2.0	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.08	7.4	0.006	0.17	0.15	0.15	0.10	3.0
3dgd	1.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.02	9.2	0.011	0.17	0.17	0.17	0.04	1.9
2djw	2.4	P 32	P 32 2 1	2	5	0.00	6.1	0.006	0.17	0.17	0.16	0.23	1.3
2bgj	2.1	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.08	6.6	0.008	0.17	0.17	0.17	---	5.3
1zpk	1.7	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	8.5	0.013	0.17	0.16	0.16	---	1.0
3cap	2.9	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	4.6	0.006	0.17	0.17	0.17	---	3.0
3eel	1.9	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	8.8	0.015	0.17	0.17	0.17	0.12	3.1
2c1j	2.6	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.03	10.5	0.014	0.17	0.08	0.08	0.30	4.1
3hum	2.3	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.06	6.1	0.004	0.17	0.17	0.17	0.17	---
1j51	2.2	P 1	P 1 21 1	2	2	0.09	9.2	0.013	0.17	0.17	0.17	---	---
1zlf	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	8.2	0.015	0.17	0.17	0.17	---	1.7
1wrq	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	10.4	0.014	0.17	0.17	0.17	0.22	2.6
1w5e	3.0	P 1	P 31	3	3	0.36	4.8	0.003	0.17	0.17	0.16	---	7.4
3h8b	1.8	C 1 2 1	C 2 2 21	2	3	0.05	7.1	0.007	0.17	0.10	0.09	---	---
2b60	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.1	0.022	0.17	0.17	0.17	---	4.8
3f55	2.8	P 41	P 41 21 2	2	2	0.00	6.6	0.008	0.17	0.17	0.17	---	---
1sof	2.6	R 3 :H	R 3 2 :H	2	4	0.00	8.5	0.011	0.17	0.17	0.17	0.43	4.5
2i5c	1.8	C 1 2 1	P 31 2 1	3	1	0.03	9.0	0.011	0.17	0.16	0.16	0.05	1.6
3bjv	2.3	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	10.0	0.013	0.17	0.17	0.17	0.17	6.9
1rit	2.9	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	4.5	0.003	0.17	0.17	0.17	---	10.8
1tjc	2.3	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	6.5	0.008	0.17	0.17	0.17	0.15	1.9
3h0r	3.0	P 1	P 1 21 1	2	12	0.12	5.1	0.004	0.17	0.17	0.16	0.55	6.2
2ggi	2.2	P 4	P 4 21 2	2	2	0.00	7.2	0.007	0.17	0.17	0.17	0.11	3.5
2q64	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.7	0.011	0.17	0.17	0.17	0.26	1.8
2ijz	3.0	P 1	F 2 3	12	1	0.20	7.3	0.005	0.17	0.17	0.17	0.35	---
3htm	2.5	P 1	C 2 2 2	4	1	0.71	7.6	0.010	0.17	0.17	0.17	---	---
2j69	3.0	C 1 2 1	I 4 2 2	4	1	0.31	4.6	0.003	0.17	0.14	0.14	0.34	7.3
1tyh	2.5	P 41	P 41 21 2	2	2	0.00	5.2	0.007	0.18	0.18	0.17	---	---
3h07	2.0	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.13	12.9	0.023	0.18	0.14	0.14	0.15	4.7
2ply	2.4	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.04	7.6	0.008	0.18	0.18	0.17	0.18	1.8

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1r0c	2.4	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	5.2	0.003	0.18	0.18	0.18	0.42	4.4
1ql3	1.4	P 21 21 21	P 43 21 2	2	2	0.67	13.1	0.020	0.18	0.16	0.14	0.15	---
1qx4	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	9.2	0.008	0.18	0.18	0.18	---	---
3ch1	2.3	P 1 2 1	P 21 21 2	2	6	0.08	4.5	0.004	0.18	0.18	0.18	0.17	2.9
3ffq	2.4	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	10.8	0.019	0.18	0.18	0.18	0.24	1.7
1ahe	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.03	8.0	0.011	0.18	0.18	0.18	---	---
3eo1	3.1	P 21 21 21	P 43 21 2	2	6	0.24	3.4	0.001	0.18	0.18	0.05	---	9.9
2efs	2.0	P 1	P 1 21 1	2	2	0.33	9.0	0.017	0.18	0.18	0.18	0.21	2.7
2rmc	1.6	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.00	7.5	0.010	0.18	0.18	0.18	---	---
1ynb	1.8	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	1	0.03	8.5	0.011	0.18	0.18	0.18	0.25	1.6
1anx	1.9	P 1	R 3 :H	3	1	0.12	7.6	0.009	0.18	0.18	0.18	---	---
2gax	1.8	C 2 2 21	P 43 21 2	2	1	0.03	9.6	0.011	0.18	0.18	0.18	0.12	4.2
2gdd	2.4	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	7.6	0.009	0.18	0.18	0.18	0.40	3.9
2r9z	2.1	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	8.5	0.012	0.18	0.18	0.18	0.12	2.8
2c7n	2.1	P 1	C 1 2 1	2	6	0.44	14.7	0.029	0.18	0.18	0.16	0.12	5.1
1b0w	1.8	C 2 2 21	P 61 2 2	3	1	0.00	10.5	0.016	0.18	0.18	0.18	---	5.5
1r1u	2.0	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	7.4	0.010	0.18	0.18	0.18	0.14	---
2oov	1.7	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.06	4.5	0.002	0.18	0.18	0.18	0.06	---
1jch	3.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.05	3.0	0.001	0.18	0.02	0.02	0.56	5.5
3exg	3.0	P 1	P 1 21 1	2	16	0.05	5.3	0.004	0.18	0.18	0.18	0.35	7.1
3b4m	2.8	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	8.4	0.013	0.18	0.18	0.18	0.38	---
2qhc	2.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.5	0.009	0.18	0.17	0.17	0.32	3.9
2qko	2.4	P 31	P 61 2 2	4	1	0.00	7.3	0.008	0.19	0.18	0.18	0.23	---
3dfv	3.1	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.01	13.9	0.022	0.19	0.14	0.14	---	2.7
2gci	1.6	C 1 2 1	C 2 2 21	2	2	0.07	7.4	0.014	0.19	0.15	0.15	0.08	4.4
3eem	2.1	P 41	P 41 21 2	2	1	0.00	8.4	0.016	0.19	0.18	0.18	0.14	2.9
1yup	2.1	P 1	P 1 21 1	2	4	0.00	12.2	0.023	0.19	0.19	0.18	0.24	3.4
3h89	2.5	C 1 2 1	C 2 2 21	2	3	0.09	12.1	0.018	0.19	0.18	0.16	---	---
3gxf	2.4	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.01	7.3	0.006	0.19	0.19	0.19	0.18	7.2
1ahx	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.10	9.3	0.013	0.19	0.19	0.19	---	---
1t6g	1.8	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	5.2	0.003	0.19	0.19	0.19	0.07	1.4
2vi5	2.3	P 1	C 1 2 1	2	5	0.31	10.1	0.010	0.19	0.17	0.16	0.27	12.9
3c3e	3.0	P 32	P 65	2	2	0.00	4.0	0.003	0.19	0.18	0.18	0.63	9.1
1ixy	2.5	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.30	9.5	0.012	0.19	0.18	0.18	---	8.7
2fs9	2.3	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	8.2	0.009	0.19	0.19	0.19	0.41	4.0
2qcq	2.2	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	7.6	0.012	0.19	0.19	0.19	0.19	2.9
3gxm	2.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.03	8.5	0.009	0.19	0.19	0.19	0.20	8.2
2f34	1.7	C 2 2 21	P 41 21 2	2	1	0.15	12.4	0.019	0.19	0.16	0.16	0.07	3.9
1keo	2.2	I 4	I 4 2 2	2	1	0.00	7.4	0.009	0.19	0.19	0.19	0.58	4.4
2fs8	2.5	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	7.7	0.009	0.19	0.19	0.19	0.49	3.8
1vg9	2.5	P 1 21 1	P 21 21 2	2	4	0.13	6.3	0.005	0.19	0.19	0.19	0.36	---
1xdl	3.0	P 21 21 2	P 42 21 2	2	4	0.01	7.7	0.007	0.19	0.19	0.19	0.94	3.9
1arg	2.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.03	9.3	0.013	0.19	0.19	0.19	---	---
3e4e	2.6	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.6	0.010	0.19	0.19	0.19	0.28	2.6
1hxb	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	9.1	0.021	0.19	0.19	0.19	---	2.0

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(%)	$\varphi(g_i)$				Error (Å)	(I_{obs}) (%)
2z02	2.0	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.00	6.0	0.003	0.19	0.19	0.19	0.23	1.6
2zok	2.1	P 1 21 1	P 21 21 2	2	6	0.01	8.1	0.008	0.19	0.19	0.19	0.12	3.1
2zg6	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	6.1	0.008	0.19	0.19	0.19	0.14	---
2jev	2.3	P 43	P 43 2 2	2	1	0.00	6.3	0.010	0.20	0.19	0.19	0.21	1.6
2oqe	1.6	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.14	5.4	0.003	0.20	0.20	0.19	0.05	---
1ahy	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.09	8.8	0.011	0.20	0.20	0.20	---	---
3k8e	2.5	C 1 2 1	C 2 2 21	2	2	0.03	10.5	0.013	0.20	0.20	0.20	0.19	---
1ahf	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.06	8.4	0.011	0.20	0.20	0.20	---	---
2c1c	2.3	P 1 21 1	P 21 21 2	2	1	0.13	11.1	0.015	0.20	0.20	0.20	0.60	---
2g45	2.0	P 64	P 64 2 2	2	2	0.00	3.7	0.003	0.20	0.20	0.20	0.31	---
2qfj	2.1	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	16.2	0.049	0.20	0.17	0.17	0.41	---
1vgz	3.0	P 31	P 31 1 2	2	1	0.00	9.9	0.017	0.20	0.20	0.20	---	1.1
3h2v	2.9	P 1	P 1 21 1	2	4	0.23	7.6	0.008	0.20	0.20	0.19	0.40	8.5
1xdm	3.0	P 21 21 2	P 42 21 2	2	4	0.02	6.3	0.004	0.20	0.20	0.20	1.15	4.4
3dhr	2.0	P 1	C 1 2 1	2	4	0.11	12.7	0.020	0.20	0.20	0.20	0.15	10.0
2fxr	2.5	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	8.2	0.011	0.20	0.20	0.20	---	3.8
1a94	2.0	P 1 1 21	P 21 21 21	2	2	0.00	12.5	0.030	0.20	0.19	0.19	---	---
1dmy	2.5	P 1	C 1 2 1	2	1	0.09	8.8	0.015	0.20	0.20	0.20	---	---
2fww	2.2	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	8.8	0.012	0.20	0.20	0.20	---	3.5
3e54	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	4.3	0.004	0.20	0.16	0.16	0.42	---
3hl2	2.8	P 31 1 2	P 61 2 2	2	2	0.00	5.2	0.004	0.20	0.20	0.20	0.40	---
1oaz	2.8	P 21 21 21	P 41 21 2	2	3	0.08	4.7	0.002	0.20	0.17	0.07	0.26	7.3
2gbo	2.2	P 62	P 62 2 2	2	1	0.00	4.0	0.007	0.20	0.20	0.20	0.12	---
3bq4	2.7	I 4	I 4 2 2	2	3	0.00	4.6	0.006	0.21	0.20	0.20	0.85	3.6
1yfo	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.09	21.7	0.112	0.21	0.16	0.16	---	21.6
2gmq	1.8	I 21 21 21	I 41 2 2	2	1	0.19	10.5	0.012	0.21	0.20	0.20	0.08	---
3ng1	2.3	P 21 21 21	P 43 21 2	2	1	0.47	8.3	0.007	0.21	0.17	0.17	---	12.4
1je8	2.1	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.00	6.9	0.008	0.21	0.20	0.20	0.27	2.5
1yax	2.4	C 1 2 1	I 2 2 2	2	2	0.06	8.3	0.010	0.21	0.21	0.20	0.23	2.0
2gqd	2.3	P 65	P 65 2 2	2	1	0.00	7.9	0.014	0.21	0.21	0.21	0.24	2.8
2j2p	2.8	P 32	P 32 2 1	2	3	0.00	8.5	0.010	0.21	0.21	0.20	0.30	8.5
3gh8	2.6	P 1 21 1	P 21 21 21	2	4	0.08	7.7	0.010	0.21	0.21	0.21	0.27	---
3dex	2.7	P 1 21 1	C 2 2 21	2	4	0.05	8.6	0.009	0.21	0.21	0.20	0.52	---
3ebn	2.4	P 1	I 2 2 2	4	1	0.08	10.3	0.020	0.21	0.21	0.21	---	3.5
1mes	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	12.1	0.034	0.21	0.21	0.21	---	---
1vqv	2.6	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.3	0.011	0.21	0.21	0.21	---	0.9
3dh2	2.3	C 1 2 1	I 2 2 2	2	2	0.04	12.7	0.019	0.21	0.21	0.20	0.21	4.1
1bd3	1.9	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.01	8.1	0.013	0.21	0.21	0.21	---	---
1h9m	1.6	R 3 :H	R 3 2 :H	2	1	0.00	8.8	0.010	0.21	0.21	0.21	---	1.0
1axa	2.0	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	7.9	0.025	0.21	0.21	0.21	---	---
1xsz	1.4	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	6.5	0.004	0.21	0.21	0.21	0.14	---
1f28	1.9	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.24	6.4	0.005	0.21	0.08	0.08	0.21	---
1a64	2.0	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	10.8	0.026	0.22	0.21	0.21	---	---
1xpy	2.3	P 4	P 4 21 2	2	2	0.00	7.8	0.008	0.22	0.21	0.21	0.14	---
2r8b	2.6	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.17	7.2	0.008	0.22	0.21	0.21	0.25	3.5

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. Error			R_{symop} (I_{obs}) (%)
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	(Å)	
1qzu	2.9	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	4.9	0.005	0.22	0.21	0.21	0.77	2.9
2zbu	2.1	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	7.5	0.007	0.22	0.22	0.22	0.24	2.6
2r4e	2.1	I 2 2 2	I 4 2 2	2	1	0.01	7.1	0.005	0.22	0.22	0.22	0.14	3.6
2ofj	2.3	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.08	12.5	0.022	0.22	0.22	0.21	0.25	5.4
2b5u	2.3	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.02	6.2	0.006	0.22	0.22	0.22	---	2.8
3gqx	2.5	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	7.6	0.014	0.22	0.01	0.01	---	1.6
3gxd	2.5	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.01	6.7	0.007	0.22	0.22	0.22	0.23	4.6
2zn9	2.4	P 4 1	P 4 1 2 2	2	1	0.00	7.4	0.012	0.22	0.22	0.22	0.25	1.0
1a6p	2.1	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	8.7	0.018	0.22	0.21	0.21	---	2.6
1t3u	2.5	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	2	0.00	10.4	0.020	0.22	0.22	0.22	0.41	---
1ry9	1.8	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.77	10.5	0.012	0.22	0.21	0.20	0.09	9.2
2v65	2.4	C 2 2 2	P 4 2 2 1 2	2	1	0.00	12.3	0.020	0.22	0.22	0.22	0.28	11.7
1upu	2.5	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.03	8.5	0.014	0.22	0.22	0.22	---	---
3b85	2.4	P 3	P 6	2	1	0.00	7.9	0.009	0.22	0.22	0.22	0.18	---
3ily	2.2	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	8.9	0.023	0.22	0.22	0.22	0.20	1.9
2opz	3.0	I 2 1 3	I 4 1 3 2	2	2	0.00	4.0	0.003	0.22	0.22	0.21	---	---
2pa2	2.5	P 3 1 2 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	7.2	0.008	0.22	0.17	0.17	0.52	---
3co5	2.4	P 3 2	P 3 2 2 1	2	1	0.00	9.6	0.016	0.22	0.22	0.22	0.20	0.8
1rpi	1.9	P 4 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.00	9.1	0.017	0.22	0.22	0.22	---	---
1tku	1.7	P 1	C 1 2 1	2	1	0.11	8.6	0.007	0.22	0.22	0.22	---	2.3
1uvh	2.8	R 3 2 :H	F 4 3 2	4	1	0.03	5.7	0.005	0.22	0.22	0.22	---	2.9
1xiq	3.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	3	0.00	9.3	0.013	0.22	0.22	0.22	0.48	5.0
3e6i	2.2	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	10.2	0.022	0.22	0.22	0.22	0.19	1.9
2olk	2.1	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.15	11.4	0.016	0.22	0.22	0.20	---	11.8
2qhb	2.4	P 3 2	P 3 2 2 1	2	1	0.00	12.6	0.024	0.23	0.21	0.21	---	5.0
2r4j	2.0	I 2 2 2	I 4 2 2	2	1	0.11	9.4	0.009	0.23	0.22	0.22	0.15	---
1m9x	1.7	P 1	P 1 2 1 1	2	4	0.11	12.0	0.016	0.23	0.23	0.20	0.09	11.9
2zcz	1.8	P 4	P 4 2 1 2	2	3	0.00	9.5	0.010	0.23	0.23	0.23	0.09	4.8
3hrr	1.9	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.03	7.8	0.006	0.23	0.23	0.23	0.09	---
1diz	2.5	P 3 1 2 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	9.1	0.010	0.23	0.23	0.23	0.43	---
2cdq	2.9	I 4 1	I 4 1 2 2	2	1	0.00	5.0	0.004	0.23	0.23	0.23	0.25	3.4
2zh0	2.5	P 3	P 6 3	2	6	0.00	9.3	0.011	0.23	0.23	0.22	0.55	3.1
1dc4	2.5	I 4 1	I 4 1 2 2	2	1	0.00	6.7	0.010	0.23	0.23	0.23	---	2.6
1lnq	3.3	P 6 1	P 6 1 2 2	2	4	0.00	1.8	0.001	0.23	0.22	0.18	0.90	5.2
2hc0	1.3	P 4 3	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	15.9	0.034	0.23	0.23	0.23	---	3.8
3hlu	2.6	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.18	6.1	0.008	0.23	0.23	0.23	0.31	4.5
3i58	2.7	P 6 5	P 6 5 2 2	2	1	0.00	4.1	0.005	0.23	0.23	0.23	0.26	---
3ecy	1.9	P 4 1	P 4 1 2 2	2	1	0.00	5.8	0.008	0.23	0.23	0.23	0.11	2.6
1hvp	1.9	P 6 1	P 6 1 2 2	2	1	0.00	9.6	0.027	0.23	0.23	0.23	---	---
2iqq	2.7	C 1 2 1	I 2 1 2 1 2 1	2	1	0.18	4.5	0.005	0.23	0.23	0.23	0.21	---
3ex0	1.3	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.34	12.6	0.017	0.23	0.11	0.11	0.03	13.1
3evi	2.7	P 3 1	P 3 1 2 1	2	1	0.00	5.9	0.007	0.24	0.23	0.23	0.32	9.4
1asm	2.4	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.14	9.0	0.014	0.24	0.23	0.23	---	8.7
2o39	2.9	P 3	P 3 2 1	2	2	0.00	6.2	0.005	0.24	0.24	0.23	---	4.4
2c1n	2.0	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.03	11.7	0.015	0.24	0.18	0.18	0.18	6.4

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)					Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1os2	2.2	P 31	P 31 2 1	2	3	0.00	7.5	0.010	0.24	0.24	0.24	0.15	1.8
2qar	2.4	P 32	P 62	2	3	0.00	5.0	0.003	0.24	0.24	0.24	0.21	2.3
1odx	2.0	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.4	0.036	0.24	0.24	0.24	---	3.4
2ggh	2.2	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	8.4	0.009	0.24	0.24	0.24	0.13	3.3
1zsf	2.0	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	12.2	0.037	0.24	0.24	0.24	---	2.2
3hrq	1.8	P 21 21 21	P 43 21 2	2	1	0.01	9.0	0.007	0.24	0.24	0.24	---	---
1kvo	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.05	12.8	0.024	0.24	0.24	0.23	---	---
3fla	1.8	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.55	10.0	0.012	0.24	0.17	0.17	0.09	---
2cl8	2.8	P 32 2 1	P 62 2 2	2	1	0.00	6.2	0.007	0.24	0.24	0.24	0.23	2.9
2h8n	2.6	C 1 2 1	I 41 2 2	4	1	0.08	4.3	0.003	0.24	0.22	0.22	---	---
3d1f	2.0	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	9.7	0.015	0.24	0.24	0.23	0.06	1.6
2qbx	2.3	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	8.6	0.015	0.24	0.24	0.24	0.21	1.6
2j0y	2.4	P 32	P 32 2 1	2	3	0.00	8.4	0.009	0.24	0.24	0.23	0.20	3.7
2c9b	2.8	P 1	C 1 2 1	2	5	0.36	11.8	0.018	0.24	0.24	0.24	0.42	13.8
1xao	2.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	8.2	0.021	0.24	0.24	0.24	0.24	1.5
1qbs	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	13.8	0.051	0.24	0.24	0.24	---	---
2tod	2.0	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.58	7.1	0.007	0.25	0.21	0.18	---	---
3gje	2.3	P 43	P 43 2 2	2	2	0.00	8.0	0.010	0.25	0.24	0.24	0.21	1.3
1tm0	2.8	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.01	8.4	0.008	0.25	0.25	0.25	0.53	---
1kx1	2.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.01	8.1	0.013	0.25	0.25	0.24	0.60	3.2
2b1g	2.1	P 1	C 1 2 1	2	2	0.14	8.4	0.011	0.25	0.23	0.23	0.16	---
1dmx	2.5	P 1	C 1 2 1	2	1	0.09	12.2	0.026	0.25	0.24	0.24	---	---
3dul	1.8	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.01	13.0	0.020	0.25	0.25	0.25	---	---
1a8g	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	9.8	0.033	0.25	0.24	0.24	0.44	4.9
2r45	2.3	I 2 2 2	I 4 2 2	2	1	0.08	8.1	0.007	0.25	0.25	0.25	0.18	---
2pdt	2.2	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.02	6.8	0.007	0.25	0.21	0.16	---	3.2
2c8u	2.0	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	11.1	0.017	0.25	0.25	0.25	0.16	2.3
1mer	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	13.1	0.044	0.25	0.24	0.24	---	---
1gnn	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.6	0.040	0.25	0.24	0.24	---	---
2r4n	3.2	P 1 21 1	P 21 21 21	2	1	0.02	9.1	0.012	0.25	0.25	0.25	0.72	4.5
3i0n	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.04	7.9	0.008	0.25	0.25	0.25	0.19	---
2j0h	2.9	P 32	P 32 2 1	2	3	0.00	7.3	0.008	0.25	0.25	0.25	0.34	4.4
2yrs	2.3	P 1 21 1	P 21 21 21	2	4	0.05	8.9	0.010	0.25	0.25	0.25	0.17	5.5
1met	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	12.8	0.040	0.25	0.25	0.25	---	---
1asn	2.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.16	8.6	0.012	0.26	0.25	0.25	---	4.0
3fa3	2.6	P 32	P 62	2	8	0.00	9.4	0.013	0.26	0.25	0.25	0.28	8.3
1jk6	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	8.1	0.015	0.26	0.25	0.25	---	---
1bwa	1.9	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	12.6	0.041	0.26	0.24	0.24	---	---
1hos	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	13.0	0.063	0.26	0.25	0.25	---	---
1upf	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.00	9.4	0.022	0.26	0.26	0.25	---	---
2d1n	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	4.7	0.003	0.26	0.25	0.25	0.52	2.9
2uwc	2.3	P 6	P 6 2 2	2	1	0.00	5.2	0.005	0.26	0.26	0.26	0.10	3.9
3ecn	2.1	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	6.3	0.007	0.26	0.26	0.26	---	2.7
2r46	2.1	I 2 2 2	I 4 2 2	2	1	0.06	8.5	0.007	0.26	0.26	0.26	0.12	2.2
2okr	2.0	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	9.4	0.011	0.26	0.25	0.25	0.29	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop}	
							(I_{calc}) (%)					Error (Å)	(I_{obs}) (%)
1bd4	2.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.18	8.7	0.019	0.26	0.26	0.25	---	---
1g39	1.2	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.04	8.1	0.008	0.26	0.25	0.25	0.20	2.3
3e20	3.5	P 43	P 43 21 2	2	4	0.00	2.8	0.003	0.26	0.26	0.25	0.34	2.3
3d21	2.2	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	6.6	0.017	0.26	0.25	0.25	0.20	0.9
2frv	2.5	P 1	P 65	6	2	0.23	10.7	0.011	0.26	0.06	0.05	0.27	---
2fjm	2.1	P 21 21 21	P 41 21 2	2	1	0.13	6.4	0.005	0.26	0.26	0.26	0.11	3.0
1tvx	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	2	0.04	9.8	0.012	0.26	0.26	0.26	---	5.8
1aia	2.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.00	9.4	0.015	0.26	0.26	0.26	---	---
2ibx	2.8	C 1 2 1	R 3 2 :H	3	2	0.15	6.7	0.007	0.26	0.26	0.26	0.32	5.2
1umj	1.6	P 3	P 63	2	1	0.00	11.6	0.014	0.26	0.26	0.26	0.14	1.6
1td0	1.9	P 3	P 63	2	2	0.00	4.6	0.002	0.26	0.26	0.26	0.35	2.3
2j3u	2.2	P 32	P 32 2 1	2	3	0.00	9.5	0.014	0.27	0.26	0.25	0.17	3.9
1pl5	2.5	P 65	P 65 2 2	2	1	0.00	5.1	0.006	0.27	0.25	0.25	---	1.8
3c3f	2.0	P 1 21 1	P 4 21 2	4	1	0.87	14.5	0.033	0.27	0.20	0.20	0.17	12.1
2c7u	2.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	3	0.01	9.4	0.013	0.27	0.27	0.26	0.33	3.6
2goy	2.7	P 1	C 2 2 21	4	2	0.16	8.3	0.009	0.27	0.14	0.13	0.58	---
1hbv	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.6	0.048	0.27	0.26	0.26	---	5.1
1qbt	2.1	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	14.5	0.057	0.27	0.26	0.26	---	---
2v51	2.4	P 1 21 1	P 21 21 2	2	2	0.06	7.0	0.009	0.27	0.27	0.26	0.19	4.3
1arh	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.00	11.1	0.016	0.27	0.27	0.27	---	---
2bpe	2.3	P 32 2 1	P 62 2 2	2	1	0.00	7.4	0.008	0.27	0.27	0.27	0.12	1.8
1pwo	2.6	C 1 2 1	I 21 21 21	2	2	0.05	8.5	0.011	0.27	0.27	0.27	0.44	3.9
3jxe	3.0	P 21 3	P 41 3 2	2	1	0.00	4.9	0.005	0.27	0.27	0.27	0.28	---
1ahg	2.5	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.01	11.7	0.021	0.27	0.26	0.26	---	---
1fi8	2.2	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.11	6.9	0.007	0.27	0.22	0.21	0.50	---
1f5t	3.0	P 41	P 41 21 2	2	2	0.00	6.0	0.008	0.27	0.26	0.26	0.76	5.8
3cfk	2.6	P 1	P 1 21 1	2	8	0.12	6.2	0.004	0.27	0.26	0.20	0.26	9.3
3guo	2.2	P 43	P 43 21 2	2	1	0.00	6.3	0.007	0.27	0.14	0.14	0.21	3.4
2qnf	3.0	P 31	P 31 2 1	2	1	0.00	3.4	0.004	0.27	0.26	0.26	0.80	3.2
2hvb	2.5	P 31	P 31 2 1	2	2	0.00	8.6	0.012	0.27	0.27	0.27	0.43	3.2
1p7o	2.3	I 41	I 41 2 2	2	3	0.00	9.4	0.013	0.27	0.27	0.27	0.30	1.2
2a07	1.9	P 1 21 1	C 2 2 21	2	3	0.11	8.3	0.009	0.27	0.27	0.27	---	2.2
2ve4	2.4	C 1 2 1	I 2 2 2	2	1	0.00	8.9	0.013	0.28	0.28	0.28	0.26	2.6
1gnm	2.3	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	11.7	0.048	0.28	0.27	0.27	---	---
2fde	2.7	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.2	0.030	0.28	0.27	0.27	---	2.2
3fz3	2.4	P 41	P 41 2 2	2	3	0.00	8.0	0.011	0.28	0.28	0.28	0.17	---
1hvr	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.8	0.032	0.28	0.27	0.27	---	---
2jhh	1.7	P 3	P 3 2 1	2	1	0.00	8.0	0.008	0.28	0.28	0.28	0.08	1.8
1t77	2.4	P 1 21 1	P 21 21 21	2	2	0.47	11.0	0.016	0.28	0.24	0.18	0.34	---
2jiz	2.3	P 1 21 1	P 21 21 21	2	7	0.19	7.9	0.008	0.28	0.16	0.09	0.14	12.7
3ffu	2.8	P 21 21 21	P 43 21 2	2	1	0.01	8.2	0.010	0.28	0.28	0.28	0.31	---
1ari	2.3	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.39	14.7	0.052	0.28	0.28	0.28	---	---
3fhs	2.7	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	7.6	0.010	0.28	0.28	0.28	0.18	1.2
1vhb	1.8	P 1 21 1	C 2 2 21	2	1	0.36	9.9	0.013	0.28	0.19	0.19	---	---
2zgu	2.4	P 32	P 32 2 1	2	1	0.00	10.7	0.029	0.28	0.28	0.28	0.47	1.9

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop} (I_{calc})		Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Coord. R_{symop} Error (I_{obs})	
							(%)	$\varphi(g_i)$				(Å)	(%)
2p34	2.1	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	8.8	0.012	0.28	0.28	0.28	0.14	2.3
2wli	2.6	C 1 2 1	C 2 2 2 1	2	1	0.11	11.1	0.017	0.29	0.28	0.28	0.31	5.8
2bb3	2.3	C 2 2 2 1	P 4 1 2 1 2	2	1	0.15	11.5	0.018	0.29	0.29	0.29	0.28	2.2
1bv7	2.0	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	13.9	0.053	0.29	0.28	0.28	---	---
3e6g	2.8	P 41	P 4 1 2 1 2	2	2	0.00	6.9	0.010	0.29	0.29	0.29	0.32	1.7
2j0g	2.9	P 32	P 3 2 2 1	2	3	0.00	8.1	0.010	0.29	0.27	0.27	0.32	5.7
2h1e	2.2	I 41	I 4 1 2 2	2	1	0.00	11.4	0.016	0.29	0.29	0.29	0.14	3.9
2glj	3.2	P 1	P 1 2 1 1	2	12	0.13	5.1	0.004	0.29	0.29	0.27	0.74	---
2nxq	2.4	P 63	P 6 3 2 2	2	1	0.00	6.3	0.012	0.29	0.28	0.28	---	1.8
1c6x	2.5	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.00	11.8	0.020	0.29	0.29	0.29	---	---
2pmc	2.7	P 1	P 1 2 1 1	2	3	0.32	13.5	0.024	0.29	0.29	0.28	0.41	2.4
1zoq	2.4	P 61	P 6 1 2 2	2	2	0.00	4.6	0.005	0.30	0.29	0.29	---	2.8
1htf	2.2	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	11.5	0.034	0.30	0.29	0.29	---	---
2c11	2.9	P 43	P 4 3 2 1 2	2	2	0.00	7.6	0.012	0.30	0.14	0.11	---	4.3
3ivu	2.7	P 62	P 6 2 2 2	2	1	0.00	5.6	0.006	0.30	0.30	0.30	0.18	---
3ex5	1.8	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.26	12.4	0.019	0.30	0.12	0.12	---	---
1gno	2.3	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	11.5	0.049	0.30	0.30	0.30	---	---
3dn9	2.3	P 1	R 3 :H	3	2	0.55	10.2	0.015	0.30	0.16	0.09	0.24	19.5
1asl	2.6	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.07	8.6	0.015	0.30	0.30	0.30	---	8.2
1aic	2.4	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.02	11.4	0.020	0.30	0.30	0.30	---	---
3buk	2.6	R 3 :H	R 3 2 :H	2	2	0.00	7.7	0.010	0.30	0.30	0.30	---	2.8
2gcj	2.5	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	2	0.23	13.3	0.025	0.30	0.30	0.30	0.32	5.3
2okv	2.0	P 31	P 3 1 2 1	2	2	0.00	9.5	0.016	0.30	0.30	0.29	0.12	1.0
2igy	2.6	P 3 2 1 2	P 6 5 2 2	2	1	0.00	5.6	0.006	0.30	0.30	0.30	0.15	3.0
1m9y	1.9	P 1	P 1 2 1 1	2	4	0.26	14.3	0.023	0.30	0.30	0.26	0.11	17.4
3ipj	1.2	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2 1	2	1	0.07	19.6	0.047	0.30	0.30	0.30	---	---
1meu	1.9	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	13.5	0.051	0.31	0.29	0.29	---	---
1xqh	1.8	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.04	9.6	0.162	0.31	0.30	0.30	0.11	3.5
3bp9	2.6	P 1	C 1 2 1	2	12	0.06	10.4	0.017	0.31	0.31	0.30	0.28	4.0
2eis	2.1	P 2 1 3	P 4 3 3 2	2	1	0.00	10.0	0.018	0.31	0.31	0.31	0.21	1.0
2o94	3.0	C 1 2 1	I 4 1 2 2	4	1	0.23	4.8	0.004	0.31	0.30	0.30	---	---
1ws7	1.9	P 61	P 6 1 2 2	2	2	0.00	7.4	0.010	0.31	0.31	0.30	0.10	1.5
3dtj	4.0	P 1	I 4 1	4	1	0.28	8.4	0.008	0.31	0.11	0.11	---	17.6
1bv9	2.0	P 61	P 6 1 2 2	2	1	0.00	13.2	0.044	0.31	0.31	0.31	---	---
2fgk	2.7	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	2	0.07	7.1	0.006	0.31	0.31	0.31	0.33	10.2
3vhb	2.1	P 1 2 1 1	C 2 2 2 1	2	1	0.08	8.8	0.015	0.31	0.30	0.30	---	---
1ql4	1.5	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	2	1.10	22.5	0.079	0.31	0.29	0.23	0.24	---
1oax	2.7	P 2 1 2 1 2 1	P 4 1 2 1 2	2	3	0.07	7.4	0.005	0.31	0.30	0.10	0.25	3.9
1osi	3.0	P 1 2 1 1	P 2 1 2 1 2	2	2	0.70	11.6	0.025	0.31	0.20	0.18	---	9.5
1jss	2.2	P 31	P 3 1 2 1	2	1	0.00	10.1	0.016	0.31	0.31	0.31	0.31	---
1r19	3.5	P 1	C 1 2 1	2	2	0.66	13.6	0.031	0.31	0.31	0.31	0.69	6.1
3i5u	2.6	P 65	P 6 5 2 2	2	1	0.00	4.0	0.004	0.31	0.31	0.31	0.62	---
2ggg	2.4	P 4	P 4 2 1 2	2	2	0.00	8.8	0.012	0.32	0.31	0.31	0.15	4.4
1os4	2.2	P 1	R 3 :H	3	4	0.95	14.9	0.023	0.32	0.31	0.29	0.44	14.0
2iww	2.7	P 2 1 2 1 2 1	P 4 3 2 1 2	2	1	0.62	6.2	0.004	0.32	0.31	0.31	0.25	---

PDB Code	Resolution (Å)	Published Symmetry	Candidate Symmetry	No. of Cosets	Chains / asu	δ (°)	R_{symop}			Coord. R_{symop}			
							(I_{calc}) (%)	$\varphi(g_i)$	Δr_{sym} (Å)	Δr_{asu} (Å)	Δr_{chain} (Å)	Error (Å)	(I_{obs}) (%)
2vcv	1.8	P 1	P 1 21 1	2	8	0.39	14.0	0.026	0.32	0.30	0.18	0.12	12.3
1oay	2.7	P 21 21 21	P 41 21 2	2	3	0.02	13.0	0.016	0.32	0.30	0.24	0.15	4.7
1os9	1.9	P 31	P 31 2 1	2	3	0.00	8.0	0.007	0.32	0.32	0.32	0.10	2.9
1qbr	1.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	16.0	0.068	0.32	0.32	0.32	---	---
1sh9	2.5	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	12.2	0.035	0.32	0.32	0.32	0.45	3.1
1mui	2.8	P 61	P 61 2 2	2	1	0.00	10.8	0.032	0.32	0.32	0.32	---	6.2
1tqe	2.7	P 1	C 1 2 1	2	3	0.04	6.9	0.006	0.32	0.32	0.27	0.82	2.0
1qs1	1.5	P 1	P 1 21 1	2	2	0.04	12.4	0.017	0.32	0.32	0.32	---	---
2ef6	2.1	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	9.3	0.013	0.32	0.32	0.32	0.14	3.2
3b4v	2.5	P 1	P 1 21 1	2	4	0.67	9.4	0.011	0.32	0.29	0.26	0.20	9.0
3cjh	2.6	P 1	C 1 2 1	2	6	0.36	10.8	0.011	0.32	0.31	0.29	0.34	9.1
2p2k	2.0	P 32	P 32 2 1	2	2	0.00	9.0	0.013	0.32	0.32	0.32	0.12	2.6

Table S2. Automated structure solution of 13 JCSG structures in all possible subgroups.

Refinement statistics presented in this Table suggest that the crystallographic R -factor is not especially sensitive to choice of symmetry, when the structure is refined in a subgroup of the published space group. Thirteen structures (randomly chosen cases representing 10 of the 13 Bravais types that have proper subgroups) were solved in all possible subgroup settings. Raw diffraction images from the JCSG were integrated and merged using symmetry constraints from the subgroup of interest, with resolution limits being determined separately for each subgroup during the data merging step. Free R flags were chosen randomly for each setting. Structures were not included in this Table if statistical tests (Padilla & Yeates, 2003; Zwart *et al.*, 2005) revealed the possibility of merohedral twinning. Subgroups with the same space group symbol and unit cell are not duplicate structure determinations, rather they represent different orientations of the symmetry axis with respect to the published cell. C , completeness of the dataset in the particular setting described, out to the indicated outer resolution limit.

PBD structure **1vr9**:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
$C 1 2 1$ (published)	1.70	80	0.247	0.270	228	53	44	90	100	90
$P 1$	2.01	62	0.245	0.274	44	53	117	77	80	90
$C 1 2 1^*$	1.85	82	0.252	0.278	227	53	44	90	101	90
$C 1 2 1$	1.92	88	0.267	0.299	68	224	44	90	130	90
$C 1 2 1$	2.01	96	0.274	0.318	230	44	53	90	103	90
$I 2 2 2$	1.92	99	0.276	0.310	44	53	223	90	90	90

* Setting equivalent to that published. The structure can be solved in a higher-symmetry space group ($I 2 2 2$) than that published ($C 1 2 1$), albeit with a higher R -factor and an unfavorable Δr_{sym} of 0.58 Å.

PBD structure **1vrn**:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
$P 2_1 2_1 2_1$ (published)	1.58	96	0.157	0.191	58	77	87	90	90	90
$P 1$	2.52	65	0.212	0.262	58	78	87	90	90	90
$P 1 2_1 1$	2.00	97	0.225	0.252	78	58	87	90	90	90
$P 1 2_1 1$	1.82	86	0.195	0.220	58	87	78	90	90	90
$P 1 2_1 1$	1.82	99	0.187	0.212	58	78	87	90	90	90
$P 2_1 2_1 2_1$	1.75	100	0.201	0.227	58	78	87	90	90	90

PBD structure 1ztv:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>P</i> 2 ₁ 2 ₁ 2 ₁ (published)	3.10	100	0.193	0.224	92	92	119	90	90	90
<i>P</i> 1	3.50	53	0.160	0.242	92	92	120	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	3.43	71	0.185	0.245	92	120	92	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	3.23	88	0.178	0.237	92	92	120	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	3.23	93	0.172	0.242	92	92	120	90	90	90
<i>P</i> 2 ₁ 2 ₁ 2 ₁	3.06	100	0.186	0.244	92	92	120	90	90	90

PBD structure 1vky:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>I</i> 2 2 2 (published)	2.00	100	0.181	0.210	119	123	131	90	90	90
<i>P</i> 1	3.50	32	0.136	0.225	107	108	108	105	113	110
<i>C</i> 1 2 1	3.50	42	0.146	0.246	176	123	119	90	132	90
<i>C</i> 1 2 1	2.59	58	0.188	0.248	180	119	123	90	133	90
<i>C</i> 1 2 1	2.85	52	0.173	0.259	171	131	119	90	134	90
<i>I</i> 2 2 2	2.49	62	0.202	0.257	119	123	131	90	90	90

PBD structure 1z9f:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>F</i> 2 2 2 (published)	2.30	68	0.231	0.300	77	83	86	90	90	90
<i>P</i> 1	2.90	62	0.216	0.302	56	57	58	117	117	95
<i>C</i> 1 2 1	2.57	84	0.263	0.323	76	83	58	90	131	90
<i>C</i> 1 2 1	2.57	97	0.265	0.323	76	86	56	90	132	90
<i>C</i> 1 2 1	2.57	86	0.240	0.328	83	76	60	90	134	90
<i>F</i> 2 2 2	2.49	100	0.273	0.322	76	83	86	90	90	90

PBD structure 3b77:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>P</i> 4 (published)	2.42	100	0.216	0.254	151	151	76	90	90	90
<i>P</i> 1	3.50	57	0.159	0.225	76	151	151	90	90	90
<i>P</i> 1 2 1	3.03	95	0.212	0.255	151	77	151	90	90	90
<i>P</i> 4	2.83	100	0.204	0.243	151	151	76	90	90	90

PBD structure 1vrd:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>I</i> 4 (published)	2.18	94	0.219	0.258	120	120	144	90	90	90
<i>P</i> 1	3.05	59	0.209	0.247	112	112	112	99	115	115
<i>C</i> 1 2 1	2.62	87	0.219	0.258	170	144	120	90	135	90
<i>I</i> 4	2.48	96	0.217	0.246	120	120	144	90	90	90

PBD structure 1vjf:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>P</i> 4 ₃ 2 ₁ 2 (published)	1.62	99	0.146	0.167	51	51	121	90	90	90
<i>P</i> 1	1.85	70	0.171	0.221	51	51	121	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	1.74	99	0.175	0.206	51	51	121	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.79	75	0.173	0.213	72	72	121	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	1.69	98	0.178	0.202	51	51	121	90	90	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	1.74	79	0.172	0.201	51	121	51	90	90	90
<i>P</i> 2 ₁ 2 ₁ 2 ₁	1.65	99	0.178	0.215	81	51	121	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.74	79	0.171	0.229	72	72	121	90	90	90
<i>C</i> 2 2 2 ₁	1.69	81	0.178	0.207	72	72	121	90	90	90
<i>P</i> 4 ₃	1.65	99	0.176	0.207	51	51	121	90	90	90
<i>P</i> 4 ₃ 2 ₁ 2	1.65	100	0.183	0.219	51	51	121	90	90	90

PBD structure 1vr8:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>P</i> 3 ₂ 2 1 (published)	1.75	93	0.150	0.182	58	58	88	90	90	120
<i>P</i> 1	2.17	78	0.202	0.238	58	58	88	90	90	60
<i>C</i> 1 2 1	2.04	89	0.197	0.248	101	58	88	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	2.04	96	0.208	0.246	101	58	88	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	2.04	99	0.202	0.256	101	58	88	90	90	90
<i>P</i> 3 ₂	1.94	100	0.200	0.237	58	58	88	90	90	120
<i>P</i> 3 ₂ 2 1	1.99	100	0.204	0.245	58	58	88	90	90	120

PBD structure 2r6v:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>P</i> 6 ₁ 2 2 (published)	1.25	85	0.128	0.154	46	46	268	90	90	120
<i>P</i> 1	2.03	58	0.192	0.221	46	46	268	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.61	82	0.201	0.221	46	80	268	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.71	72	0.193	0.209	80	46	268	90	120	90
<i>P</i> 1 2 ₁ 1	1.84	90	0.197	0.236	46	268	46	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.61	56	0.194	0.226	46	80	268	90	90	90
<i>C</i> 2 2 2 ₁	1.71	91	0.201	0.241	46	80	268	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.61	71	0.194	0.230	80	46	268	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.61	82	0.203	0.239	46	80	268	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	1.61	83	0.197	0.227	80	46	269	90	90	90
<i>C</i> 2 2 2 ₁	1.61	84	0.194	0.216	46	80	268	90	90	90
<i>C</i> 2 2 2 ₁	1.53	70	0.199	0.228	46	80	268	90	90	90
<i>P</i> 3 ₁	1.53	86	0.195	0.225	46	46	268	90	90	120
<i>P</i> 3 ₁ 2	1.61	90	0.200	0.227	46	46	268	90	90	120
<i>P</i> 3 ₁ 2 1	1.46	83	0.201	0.239	46	46	268	90	90	120
<i>P</i> 6 ₁	1.53	87	0.198	0.218	46	46	268	90	90	120
<i>P</i> 6 ₁ 2 2	1.53	88	0.208	0.242	46	46	268	90	90	120

PBD structure 1vlg:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>R</i> 3 2 :H (published)	2.00	100	0.180	0.218	176	176	355	90	90	120
<i>P</i> 1	2.62	61	0.196	0.248	156	156	156	69	69	69
<i>C</i> 1 2 1	2.29	80	0.205	0.237	258	176	156	90	116	90
<i>C</i> 1 2 1	2.29	79	0.202	0.252	258	176	156	90	116	90
<i>C</i> 1 2 1	2.21	98	0.203	0.246	258	176	156	90	116	90
<i>R</i> 3 :H	2.08	100	0.205	0.222	176	176	355	90	90	120
<i>R</i> 3 2 :H	2.14	100	0.204	0.219	176	176	355	90	90	120

PBD structure 1vmd:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>I</i> 2 3 (published)	2.06	98	0.170	0.219	130	130	130	90	90	90
<i>P</i> 1	3.50	35	0.142	0.260	113	113	113	109	110	109
<i>C</i> 1 2 1	3.50	49	0.154	0.214	184	131	130	90	135	90
<i>C</i> 1 2 1	3.50	44	0.143	0.243	184	130	130	90	135	90
<i>R</i> 3 :H	2.59	86	0.184	0.258	185	185	113	90	90	120
<i>C</i> 1 2 1	3.50	50	0.162	0.230	184	131	130	90	135	90
<i>I</i> 2 2 2	3.03	61	0.188	0.239	130	130	131	90	90	90
<i>R</i> 3 :H	2.59	92	0.199	0.248	184	184	113	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.59	85	0.199	0.255	184	184	113	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.59	86	0.196	0.254	184	184	113	90	90	120
<i>I</i> 2 3	2.33	100	0.194	0.239	130	130	130	90	90	90

PBD structure 1vlv:

<u>Space Group</u>	<u>Resolution (Å)</u>	<u>C (%)</u>	<u>R-work</u>	<u>R-free</u>	<u>a (Å)</u>	<u>b (Å)</u>	<u>c (Å)</u>	<u>α (°)</u>	<u>β (°)</u>	<u>γ (°)</u>
<i>F</i> 4 3 2 (published)	2.25	99	0.190	0.215	210	210	210	90	90	90
<i>P</i> 1	2.75	98	N/A*							
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.193	0.300	258	149	149	90	125	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	99	0.181	0.267	258	149	149	90	125	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.177	0.274	210	210	149	90	135	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.191	0.261	210	210	149	90	135	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.184	0.287	210	210	149	90	135	90
<i>F</i> 2 2 2	2.60	100	0.190	0.236	210	210	211	90	90	90
<i>I</i> 2 2 2	2.67	100	0.196	0.263	149	149	211	90	90	90
<i>I</i> 4	2.53	100	0.188	0.285	149	149	211	90	90	90
<i>I</i> 4 2 2	2.60	100	0.196	0.252	149	149	211	90	90	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.190	0.260	258	149	149	90	125	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.184	0.241	258	149	149	90	125	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.182	0.233	258	149	149	90	125	90
<i>C</i> 1 2 1	2.75	100	0.188	0.258	258	149	149	90	125	90
<i>I</i> 2 2 2	2.67	100	0.181	0.238	149	149	210	90	90	90
<i>I</i> 2 2 2	2.60	100	0.192	0.241	149	149	211	90	90	90
<i>I</i> 4	2.53	100	0.184	0.254	149	149	210	90	90	90
<i>I</i> 4 2 2	2.67	100	0.192	0.256	149	150	210	90	90	90
<i>I</i> 4	2.53	100	0.184	0.222	149	149	211	90	90	90
<i>I</i> 4 2 2	2.60	100	0.190	0.265	149	149	211	90	90	90
<i>R</i> 3 2 :H	2.53	100	0.190	0.251	149	150	365	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.67	100	0.189	0.283	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 2 :H	2.53	100	0.197	0.252	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.67	100	0.191	0.250	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 2 :H	2.53	100	0.186	0.237	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.67	100	0.176	0.265	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 2 :H	2.53	100	0.193	0.253	149	149	365	90	90	120
<i>R</i> 3 :H	2.67	100	0.194	0.260	149	149	365	90	90	120
<i>F</i> 2 3	2.53	100	0.192	0.250	211	211	211	90	90	90
<i>F</i> 4 3 2	2.53	100	0.196	0.265	211	211	211	90	90	90

* Refinement not performed.